

# PURIFICACIÓN DE PROTEÍNAS



# **SEPARAR UNA PROTEÍNA PARTICULAR DE OTRAS PROTEÍNAS Y COMPONENTES CELULARES**

Hay muchas proteínas por célula ( $10^9$ ).

Una proteína dada puede ser 0.001-20% de la proteína total.

Otros componentes:

Ácidos nucleicos, carbohidratos, lípidos, pequeñas moléculas.

Proteínas podemos encontrarlas:

Solubles, insolubles, unidas a membranas, unidas a DNA, en organelos, citoplasma, en núcleo.

# **¿POR QUÉ SE NECESITA PURIFICAR PROTEÍNAS?**

**Es un paso básico para conocer su función**

Secuencia de AA

Relaciones evolutivas

Función bioquímica

Estudio de la estructura secundaria terciaria: Cristalización

**Se debe tratar de conocer el máximo número de características de la proteína**

Tamaño

Carga eléctrica

Densidad

Afinidad por otras moléculas

# ¿CÓMO RECONOCER A LA PROTEÍNA QUE SE BUSCA?

## Métodos para la determinación de proteínas

Determinar la cantidad total de proteínas en la muestra inicial y en cada paso del proceso de purificación.

## Ensayo de actividad

Debe ser una prueba específica que permita identificar la proteína de interés en todos los pasos del proceso de purificación.  
A más específico el ensayo, mejor calidad de purificación

Actividad específica = actividad de la proteína de interés / cantidad total de proteína.

# **OBJETIVOS EN LA PURIFICACIÓN**

## **1.- MÁXIMA CANTIDAD POSIBLE**

Porcentaje de enzima purificada respecto a la cantidad inicial.

## **2.- MÁXIMA ACTIVIDAD CATALÍTICA**

Enzima en condiciones operativas o funcionales.

## **3.- MÁXIMA PUREZA**

Enzima no contenga otras proteínas.

# **EVALUACIÓN DE LA PURIFICACIÓN ENZIMÁTICA**

## **GRADO DE PURIFICACIÓN**

Incremento de actividad específica respecto a la de partida

## **RENDIMIENTO**

Porcentaje de enzima purificada

**Parámetros que se evalúan en la purificación**

**Concentración de proteínas**

**Actividad enzimática**

# **MONITOREO DEL PROCESO DE PURIFICACIÓN**

**Actividad Específica** 
$$AE = \frac{\text{Unidades totales en la fracción i}}{\text{Total de proteínas en la fracción i}}$$

**Rendimiento** 
$$R = \frac{\text{Unidades en la fracción i}}{\text{Unidades en la fracción original}}$$

**Porcentaje de purificación** 
$$P = \frac{\text{AE en la fracción i}}{\text{AE en la fracción original}}$$

# PASOS A SEGUIR EN UNA PURIFICACIÓN

1. Elegir la fuente (*matriz biológica*)
2. Definir un ensayo específico que identifique a la proteína (actividad biológica) (*específico, sensible, rápido y barato*)
3. Extraer la proteína de la fuente (proteínas intracelulares o extracelulares)
4. Fraccionamiento del *extracto crudo* (*seguimiento de cada paso*)
5. Determinar la pureza y calidad del producto final

# **FRACTIONAMIENTO DEL EXTRACTO CRUDO**

Implica una serie de pasos en los cuales se aprovechan propiedades fisicoquímicas o biológicas de la proteína de interés para separarla del resto de las moléculas.

Cada paso debe ser monitoreado adecuadamente para evaluar el rendimiento en la purificación, pureza y actividad específica de cada fracción obtenida.

Si bien no hay una sola secuencia de técnicas a seguir, en general se recomienda empezar por técnicas de alta capacidad y seguir con las de baja capacidad.

En general se desea obtener una gran pureza (según los objetivos) acompañada de un gran rendimiento.

# ESQUEMA TÍPICO DE UN PROCESO DE PURIFICACIÓN

Table 1-1

Purification of 4-nitrophenylphosphatase from 85 g of bovine liver. General aspects of each step are described in this chapter. Experimental conditions for fractionation, chromatographic columns, enzyme and protein assays, and the results obtained in each case are in Chapters 2–5. This table should be filled as the simulated purification advances

Step	Volume (mL)	[Activity] (U/mL)	[Protein] (mg/mL)	Total activity (U)	Total protein (mg)	Specific activity (U/mg)	Purification (-fold) <sup>a</sup>	Yield (%) <sup>b</sup>
1. Soluble extract (100,000 × g liver supernatant)	210	11.7	18	2460	3780	0.65	1	100
2. Ammonium sulfate fractionation (30–60% saturation precipitate)	35	55	58	1925	2030	0.95	1.5	78
3. Gel-filtration chromatography in a Sephadex G-150 column (active fractions pooled)	240	6.0	1.7	1440	410	3.5	5.4	59
4. Ion-exchange chromatography in a DEAE-cellulose column (active fractions pooled)	152	6.0	0.18	910	27	34	52	37
5. Dye-ligand affinity chromatography in a Reactive blue 2-agarose column (active fractions pooled)	10	86	0.082	860	0.82	1050	1615	35

<sup>a</sup>Increase of specific activity relative to that of the soluble extract.

<sup>b</sup>Recovery of enzyme activity relative to the total activity of the soluble extract.

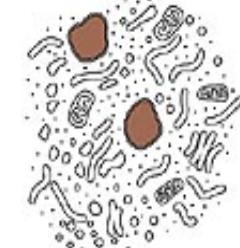
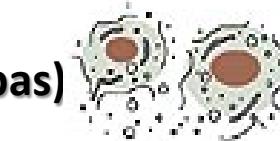
# PURIFICACIÓN Y AISLAMIENTO DE PROTEÍNAS

## PREPARACIÓN DEL EXTRACTO CRUDO

Suspensión de  
Células ó tejidos:



Ultrasonidos  
Detergente  
Émbolo rotatorio (potter ó aspas)



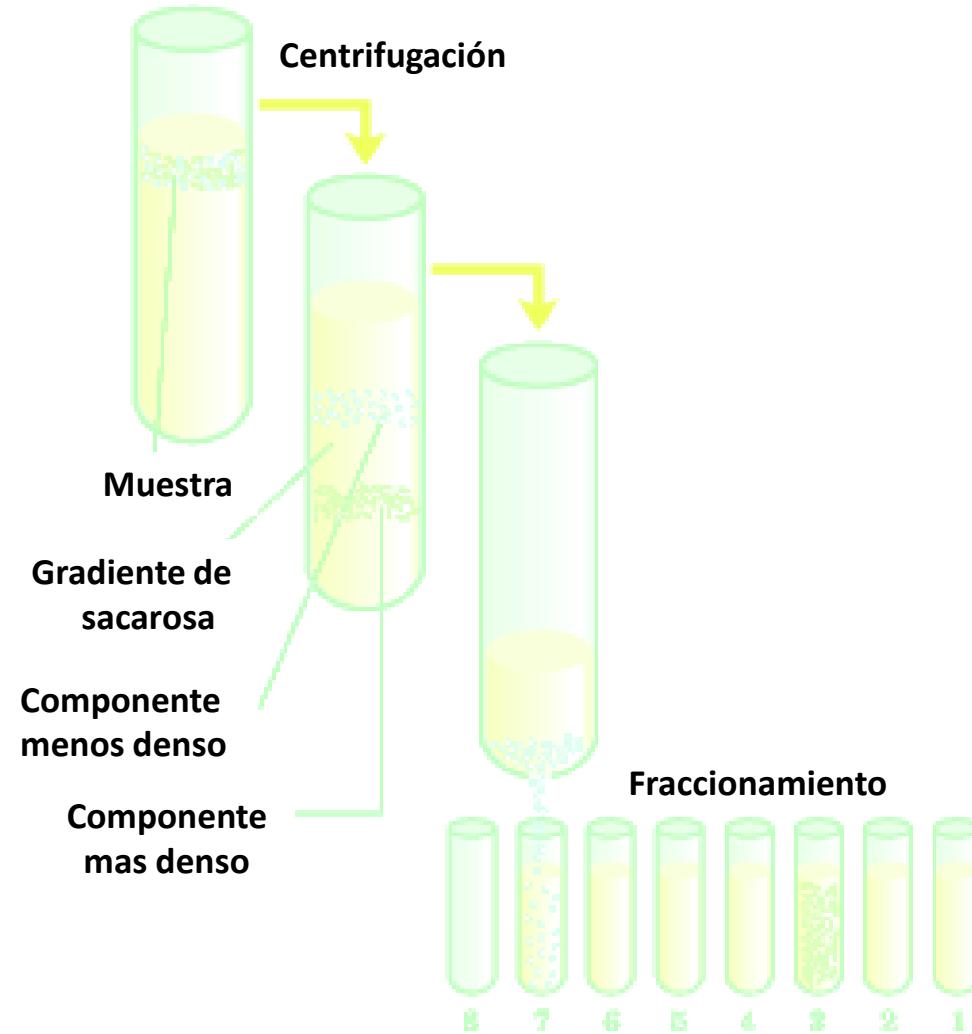
Homogenado

# FRACTIONAMIENTO DEL HOMOGENADO CELULAR

## CENTRIFUGACIÓN DIFERENCIAL

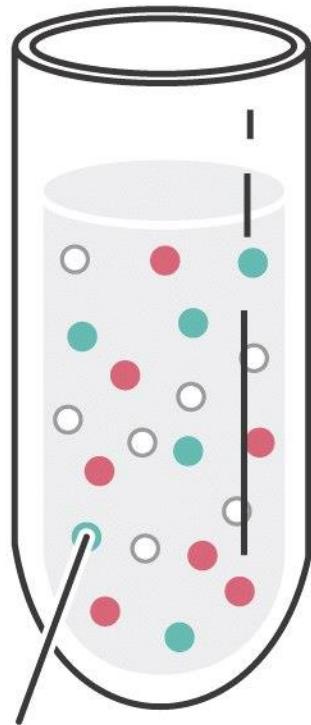


# CENTRIFUGACIÓN ISOPÍCNICA



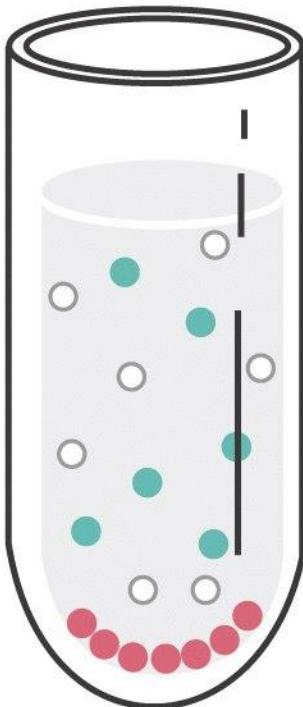
# PRECIPITACIÓN CON SALES

(a)



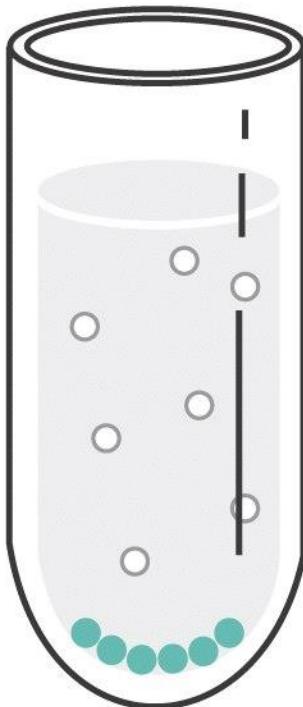
**Target  
protein**

(b)



(Voet)

(c)



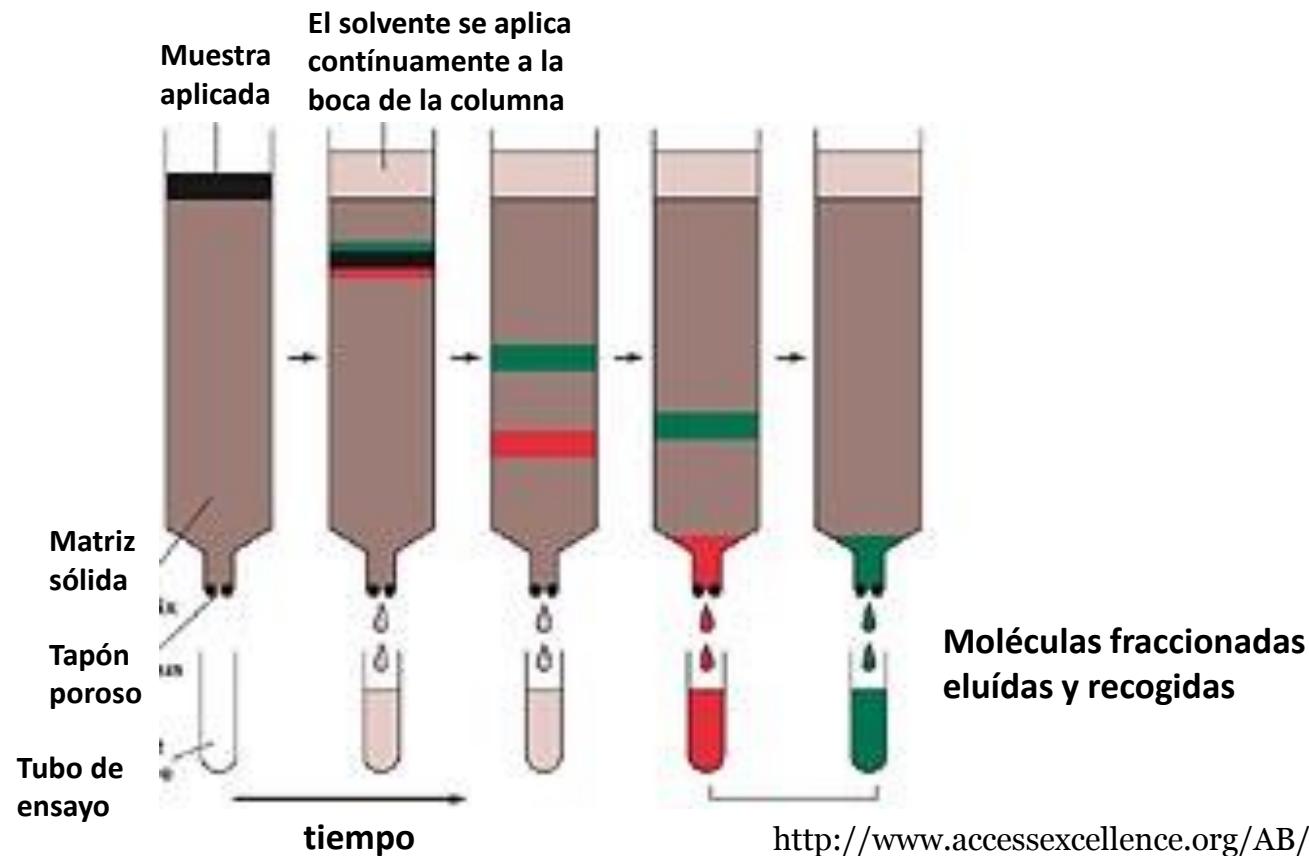
**Supernatant**

**Precipitate**

# SEPARACIÓN DE PROTEÍNAS

## CROMATOGRAFÍA EN COLUMNA

Las diferentes proteínas se retrasan según sus interacciones con la matriz, de acuerdo a su carga, hidrofobicidad, tamaño o unión a grupos químicos.



# CROMATOGRAFÍA EN COLUMNAS

## Intercambio iónico

la carga de la proteína permite la separación.  
Se eluye usando un gradiente de pH y de la fuerza iónica

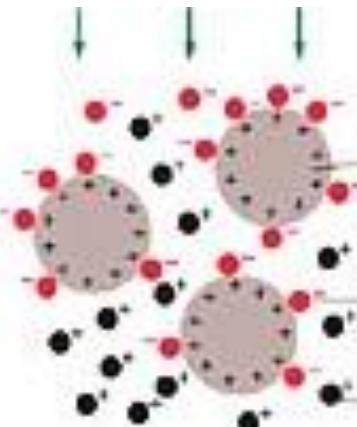
## Filtración en gel

El tamaño de la partícula proteíca permite la separación

## De Afinidad

La interacción con un ligando específico con la proteína permite la separación

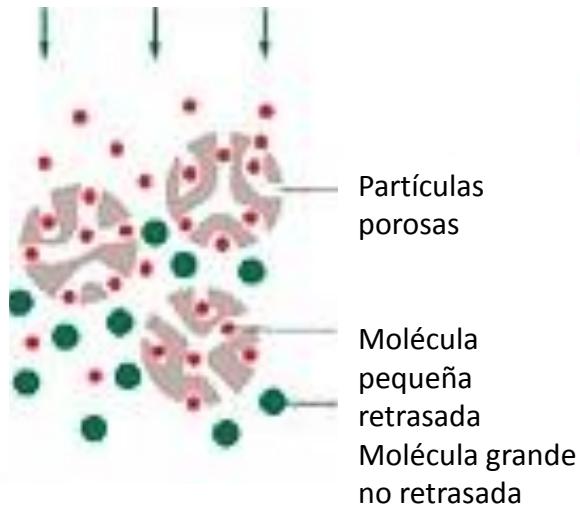
Flujo de solvente



Partícula cargada positivamente

Molécula cargada negativamente unida  
Molécula cargada positivamente libre

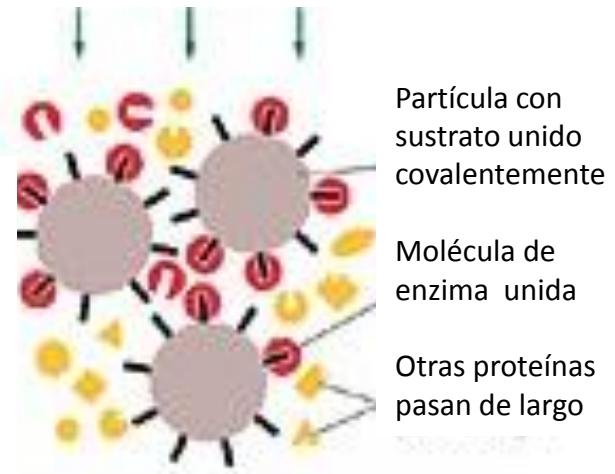
Flujo de solvente



Partículas porosas

Molécula pequeña retrasada  
Molécula grande no retrasada

Flujo de solvente

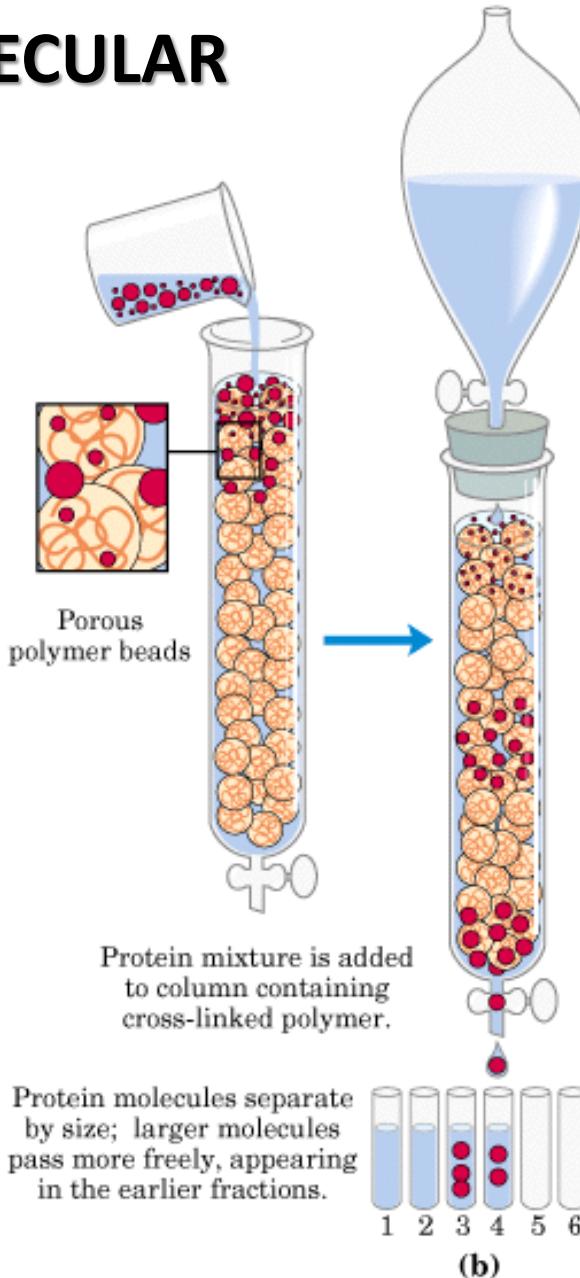


Partícula con sustrato unido covalentemente

Molécula de enzima unida  
Otras proteínas pasan de largo

# CROMATOGRAFÍA DE FILTRACIÓN O EXCLUSIÓN MOLECULAR

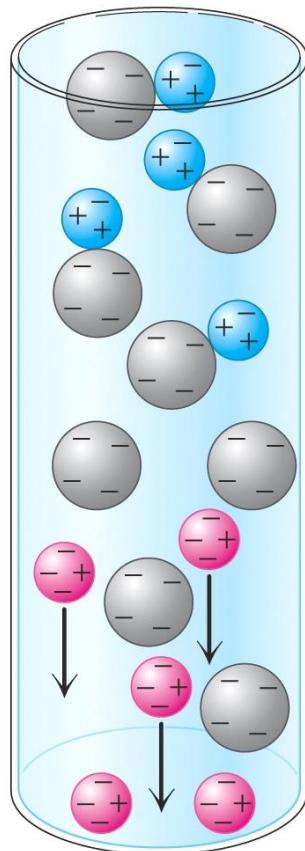
Las proteínas se separan según su tamaño



# CROMATOGRAFÍA DE INTERCAMBIO IÓNICO

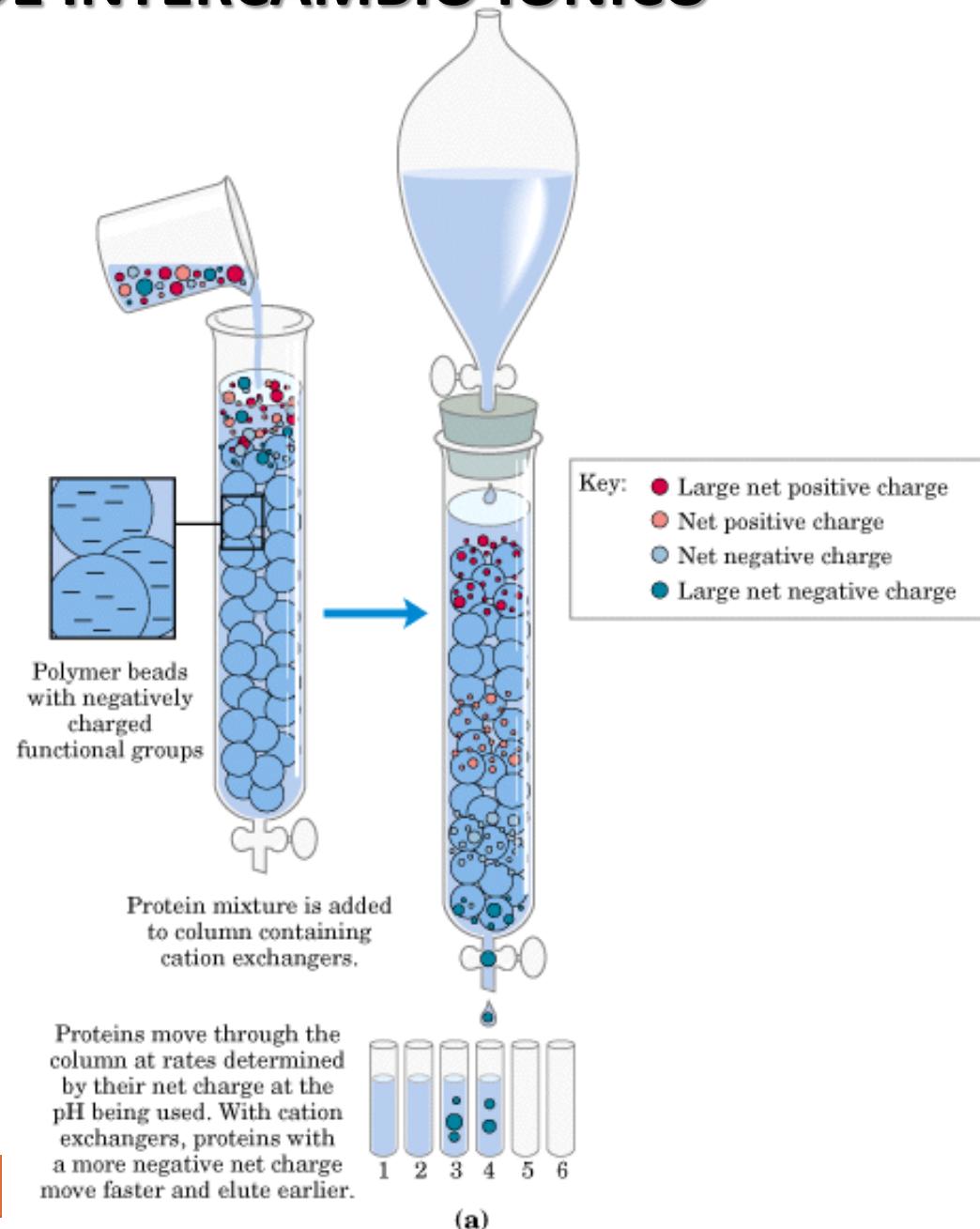
## INTERCAMBIO CATIÓNICO

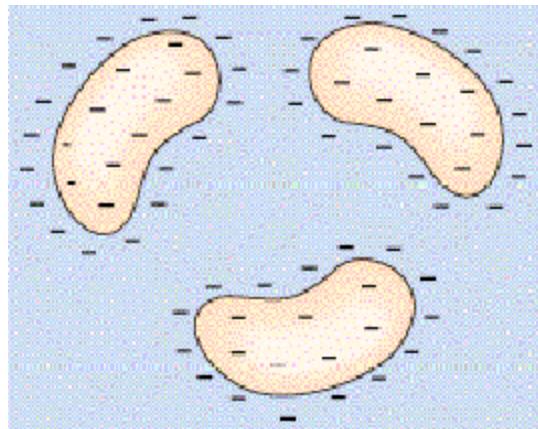
Las proteínas se separan según su carga a un pH determinado



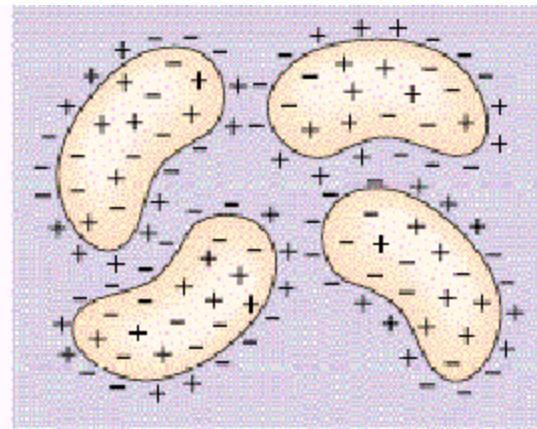
Positively charged protein binds to negatively charged bead

Negatively charged protein flows through

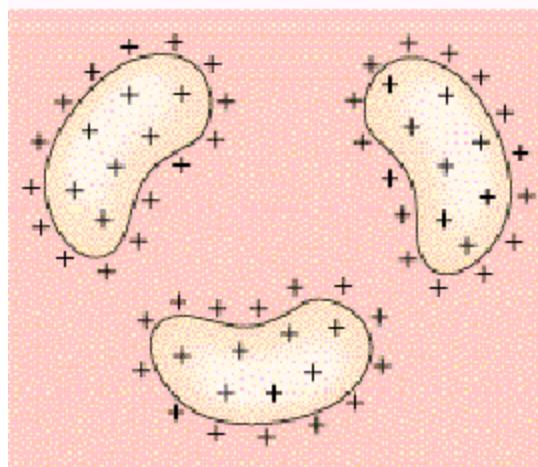




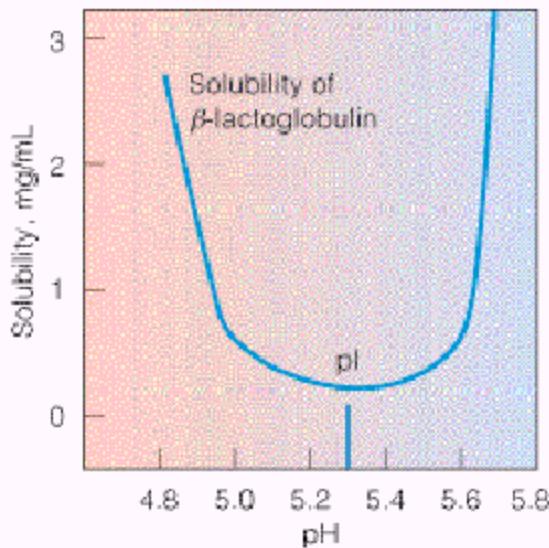
(a) High pH: protein soluble (deprotonated)



(b) Isoelectric point: protein aggregates



(c) Low pH: protein soluble (protonated)



(d) Solubility of  $\beta$ -lactoglobulin



Fuente: Mathews  
Digital Library

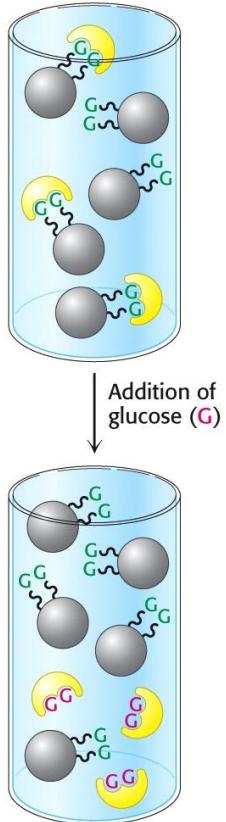
## CROMATOGRAFÍA DE AFINIDAD

Las proteínas se separan en función de la especificidad de unión a un ligando.

En el ejemplo , el ligando es la glucosa y se separan aquellas proteínas que se unen a ella.

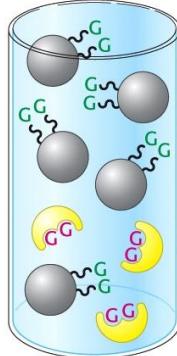
Las proteínas de interés se eluyen añadiendo un exceso de ligando libre.

Glucose-binding protein attaches to glucose residues (G) on beads



Addition of glucose (G)

Glucose-binding proteins are released on addition of glucose



Mixture of proteins

Protein mixture is added to column containing a polymer-bound ligand specific for protein of interest.

Unwanted proteins are washed through column.

Protein of interest is eluted by ligand solution.

(c)

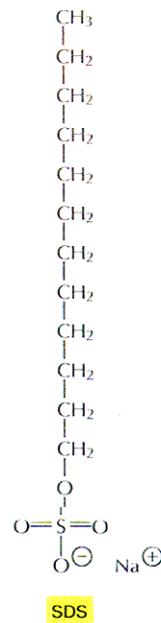
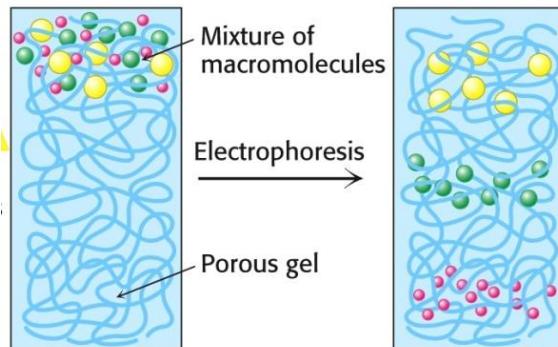
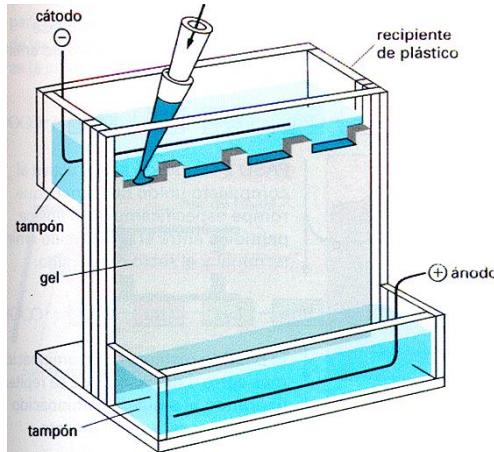
Key:

Protein of interest  
Ligand  
Ligand attached to polymer bead

# ELECTROFORESIS EN GEL

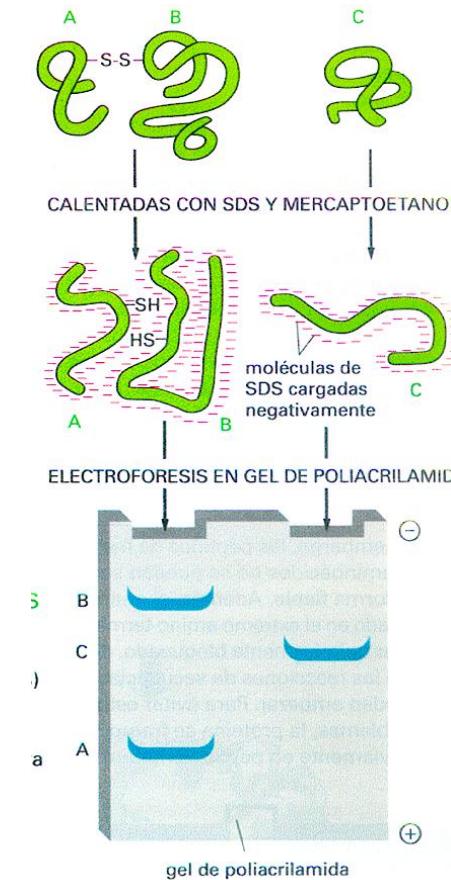
## ELECTROFORESIS EN GEL:

Tras aplicar un campo eléctrico las proteínas migran en función del tamaño y de la carga

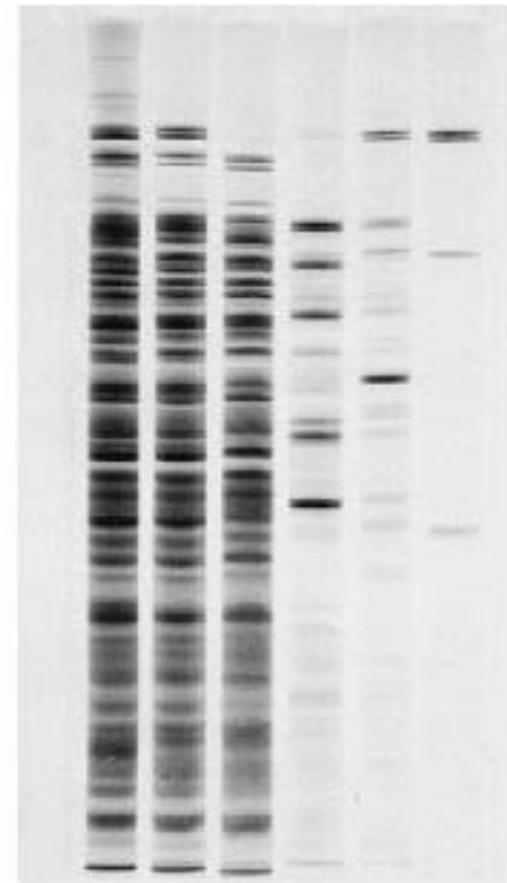
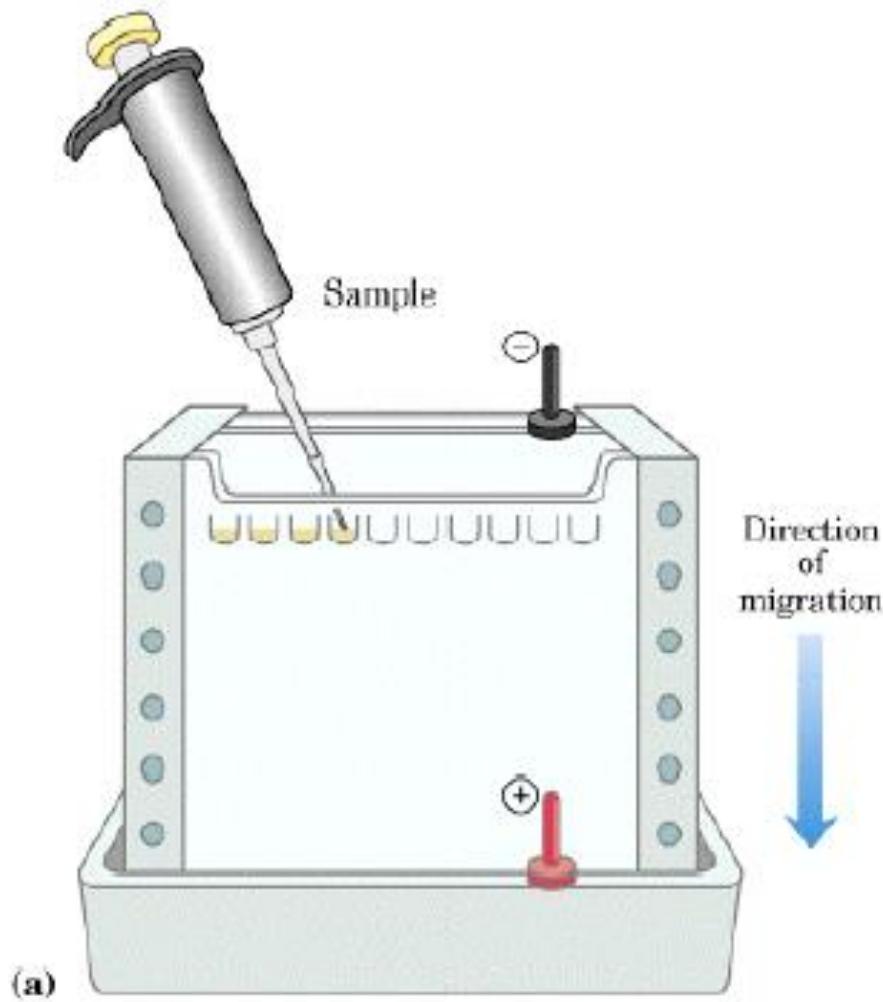


(solubiliza  
proteínas)

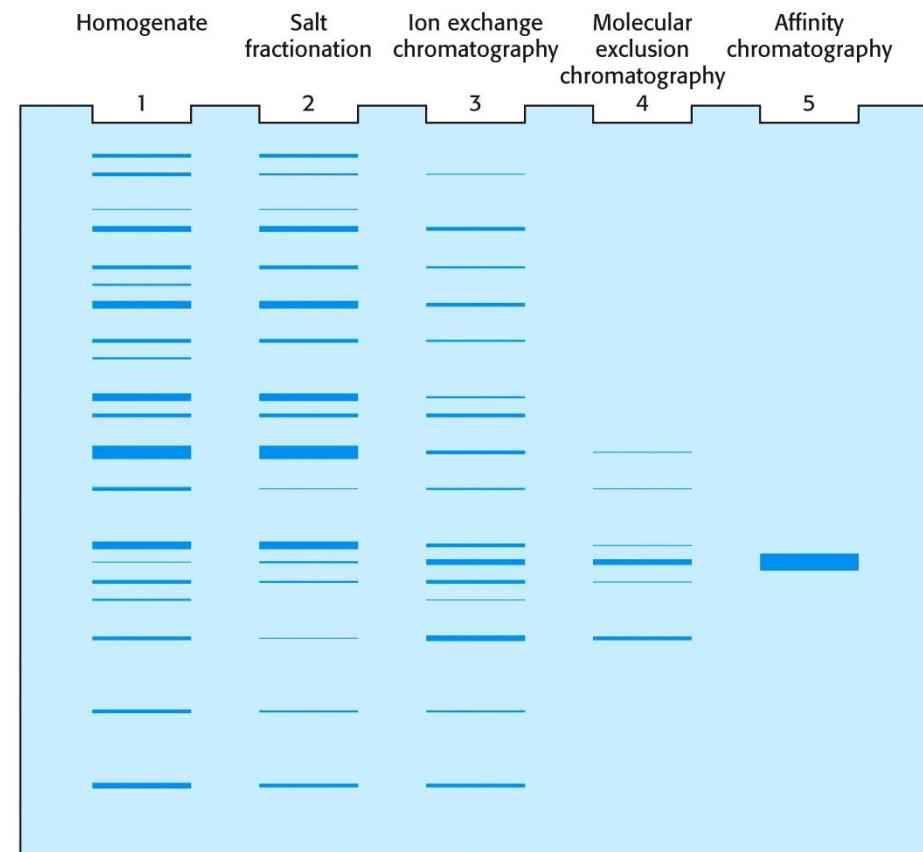
## Electroforesis en SDS-PAGE



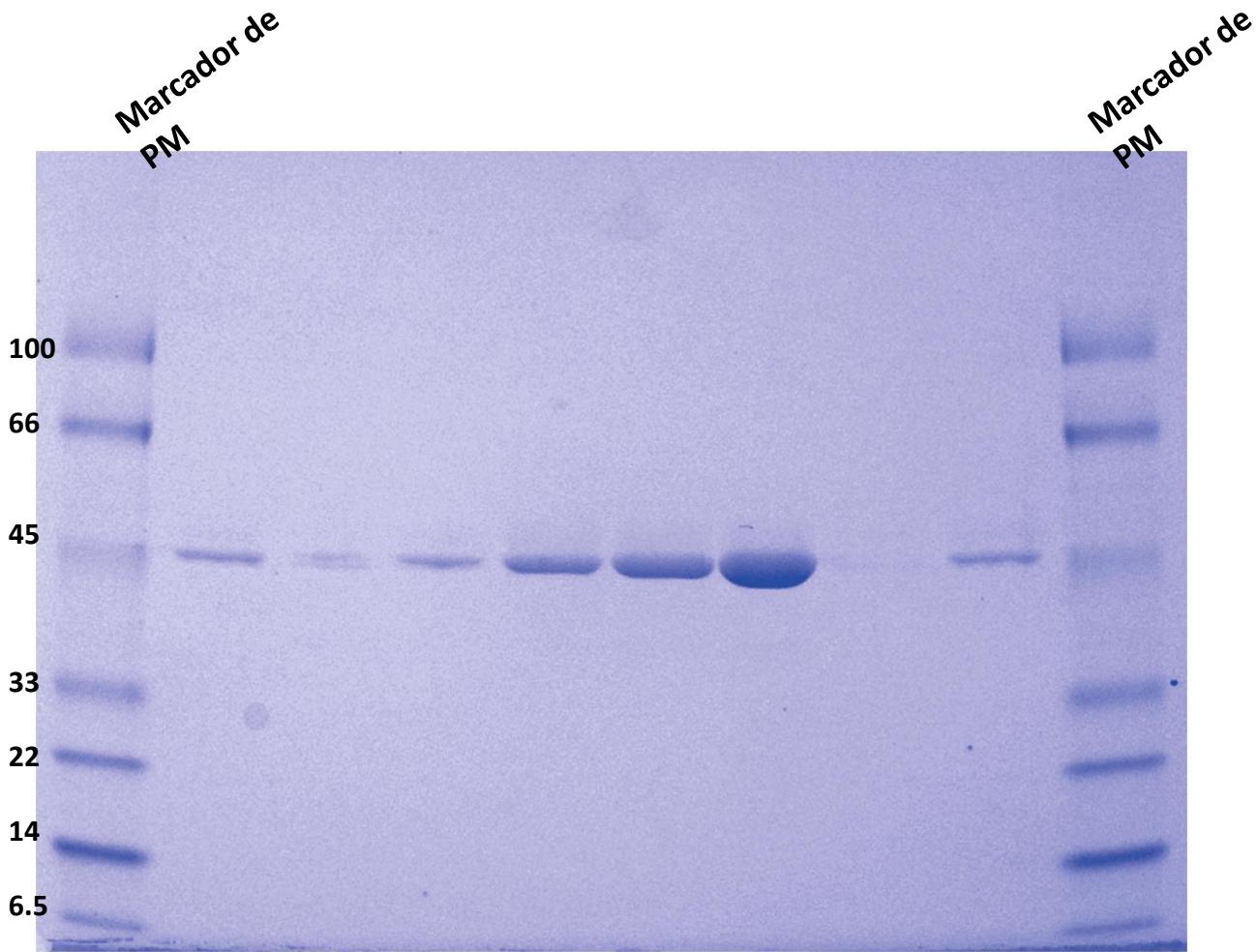
# ELECTROFORESIS EN GEL



Ejemplo de análisis de proteínas por SDS-PAGE en cada paso de una purificación.  
En el último paso hay una única banda, lo que indica que tenemos la proteína de interés completamente purificada

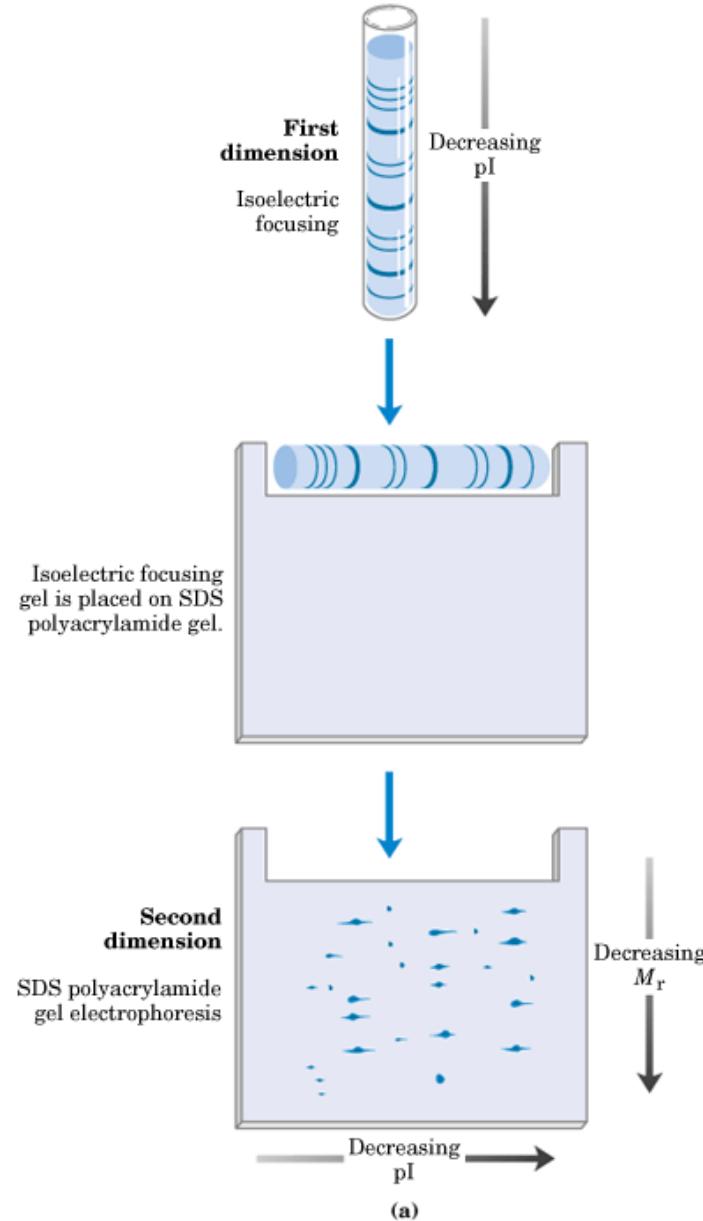


# GEL SDS-PAGE TEÑIDO CON AZUL DE COOMASSIE

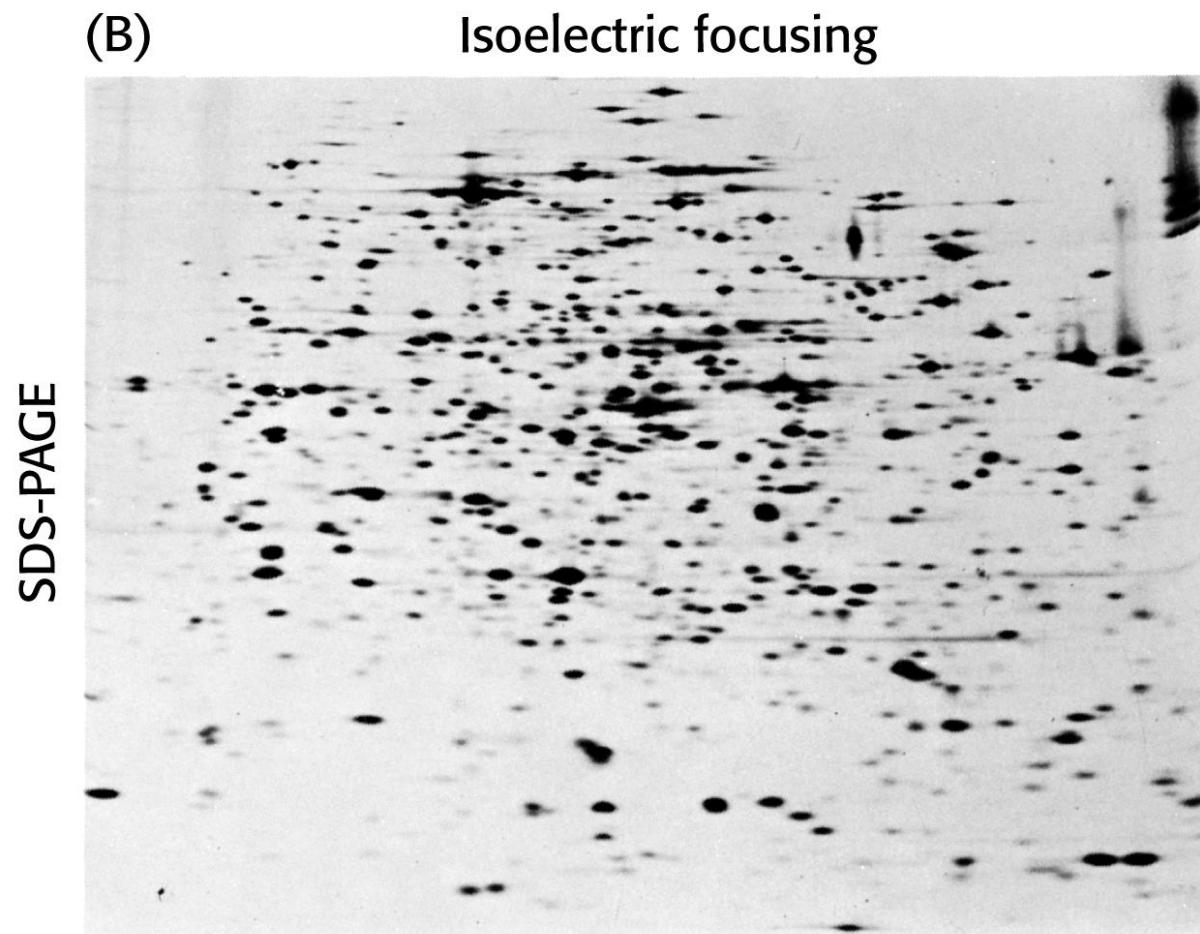


# GELES BIDIMENSIONALES (2D)

## Primero iso-electroenfoque y luego SDS-PAGE



# EJEMPLO DE GEL BIDIMENSIONAL



**Table 5-2 Isoelectric Points of Several Common Proteins**

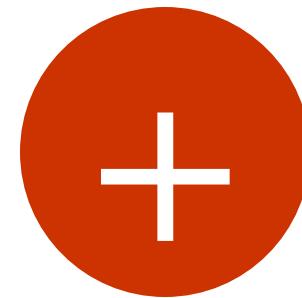
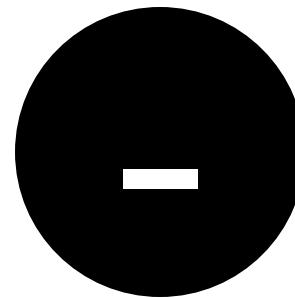
Protein	pI
Pepsin	<1.0
Ovalbumin (hen)	4.6
Serum albumin (human)	4.9
Tropomyosin	5.1
Insulin (bovine)	5.4
Fibrinogen (human)	5.8
$\gamma$ -Globulin (human)	6.6
Collagen	6.6
Myoglobin (horse)	7.0
Hemoglobin (human)	7.1
Ribonuclease A (bovine)	9.4
Cytochrome <i>c</i> (horse)	10.6
Histone (bovine)	10.8
Lysozyme (hen)	11.0
Salmine (salmon)	12.1

# ELECTROFORESIS: CONCEPTOS BÁSICOS

## DEFINICIÓN:

- 1. MIGRACIÓN DE SUSTANCIAS POR LA ACCIÓN DE UN CAMPO ELÉCTRICO.**
- 2. TÉCNICA QUE APLICA ESTE FENÓMENO.**

## ELECTROFORESIS



CELDA/PILA ELECTROLÍTICA

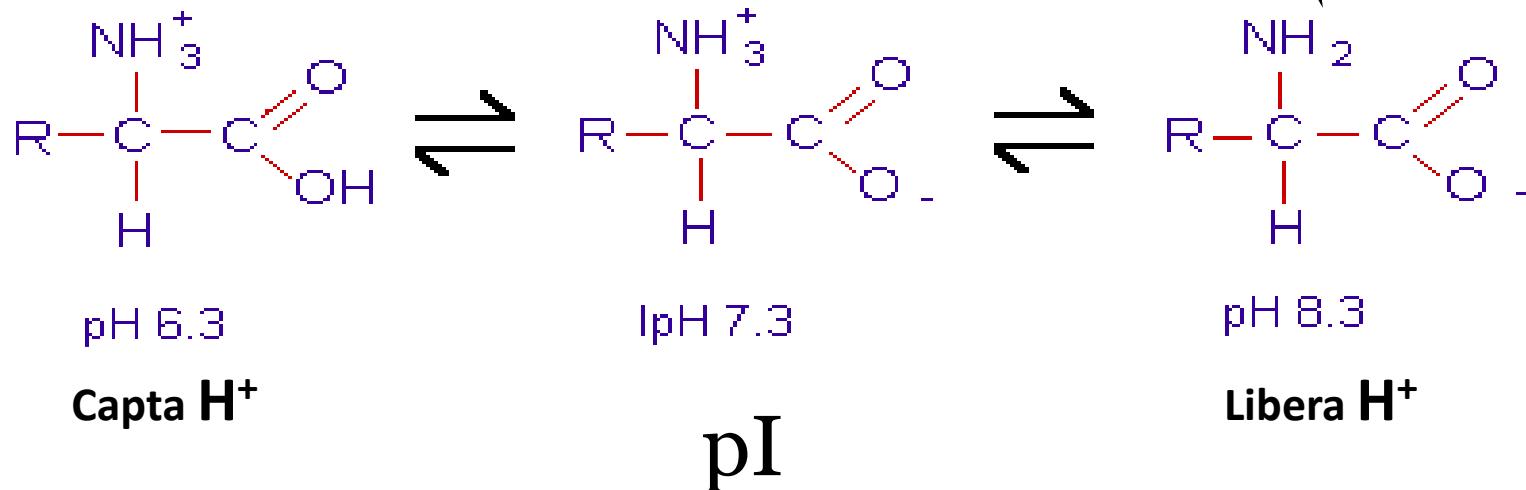
# ELECTROFORESIS EN GEL DE POLIACRILAMIDA: NO DESNATURALIZANTE

LAS PROTEÍNAS SE SEPARAN POR:

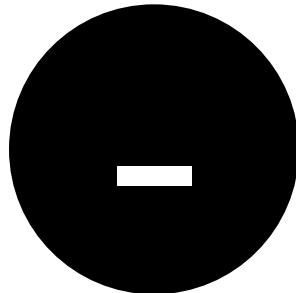
- CARGA ELÉCTRICA
- TAMAÑO

Puesto que utilizamos unas condiciones de pH alcalinas, la mayoría de las proteínas van a estar CARGADAS NEGATIVAMENTE

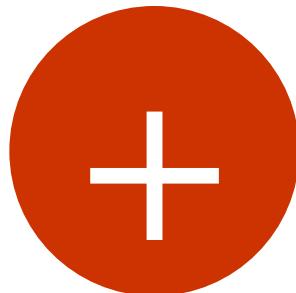
Carga de los aminoácidos y proteínas con los cambios de pH



# **ELECTROFORESIS EN GEL DE POLIACRILAMIDA: NO DESNATURALIZANTE**

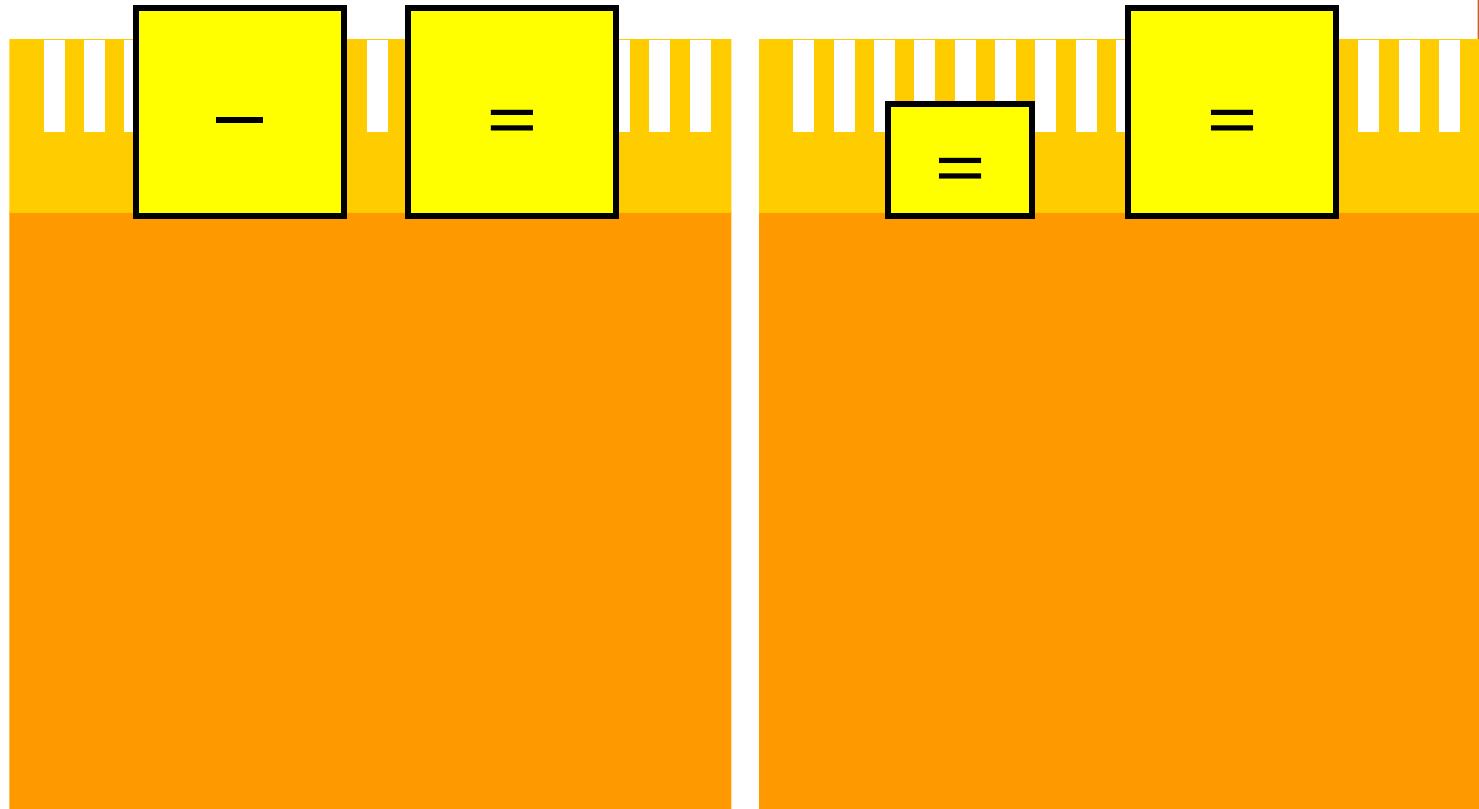
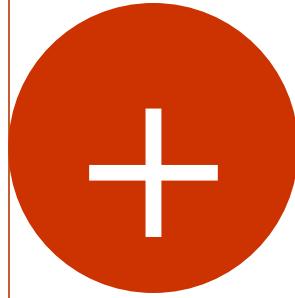
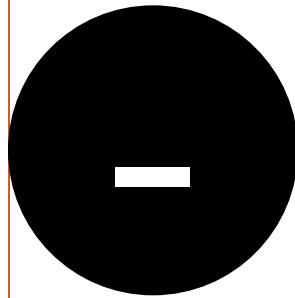


AL APLICAR UN CAMPO  
ELÉCTRICO LAS  
PROTEÍNAS MIGRARÁN



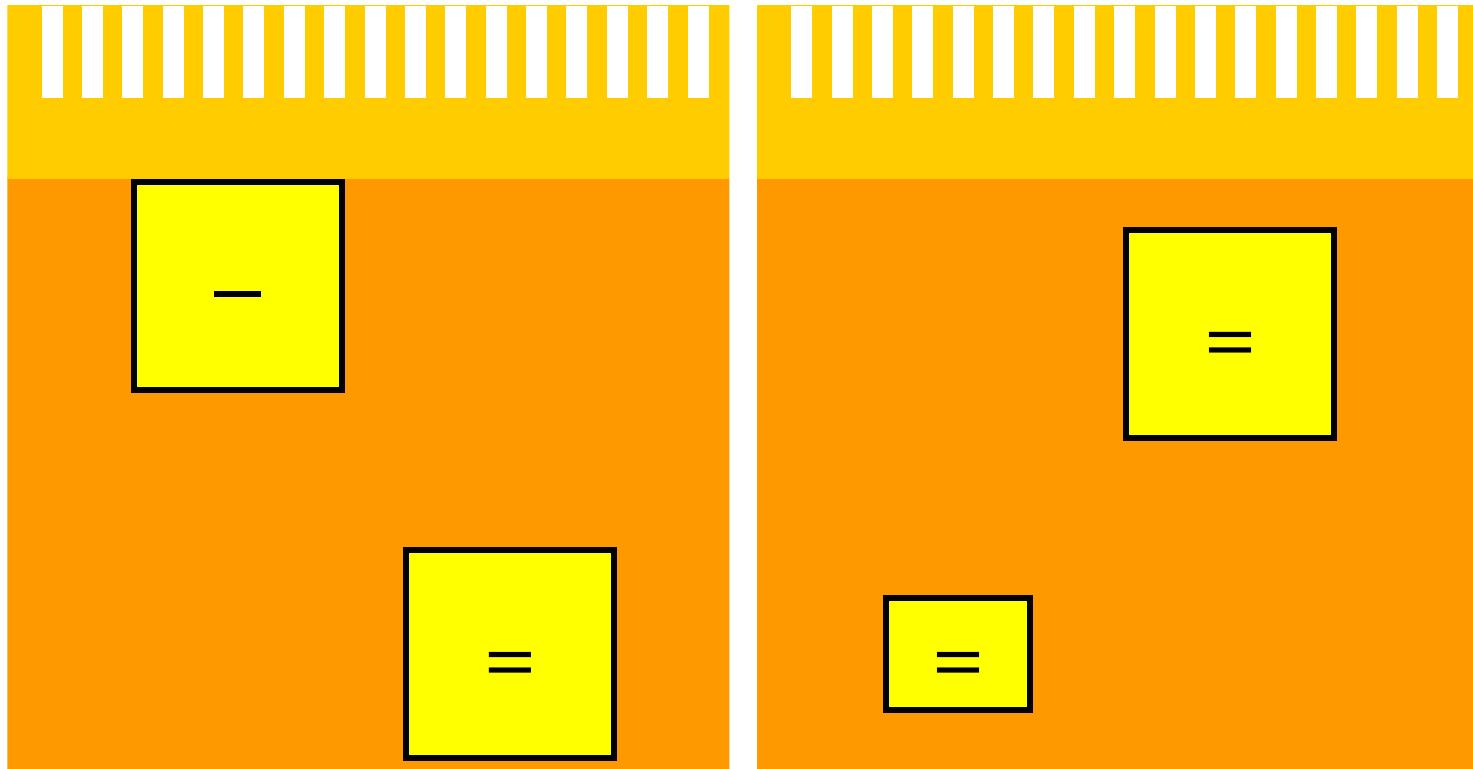
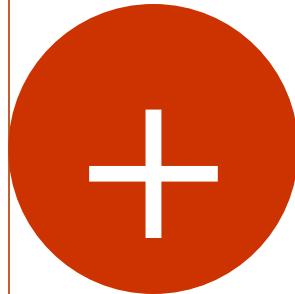
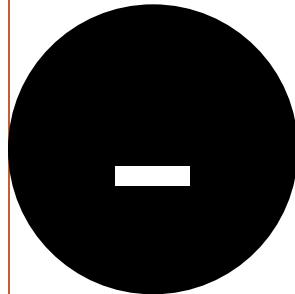
ÁNODO

# ELECTROFORESIS EN GEL DE POLIACRILAMIDA: NO DESNATURALIZANTE



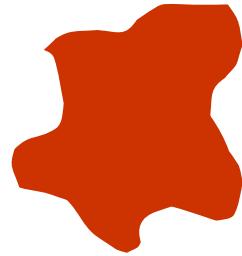
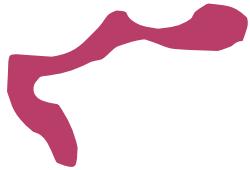
ÁNODO

# ELECTROFORESIS EN GEL DE POLIACRILAMIDA: NO DESNATURALIZANTE

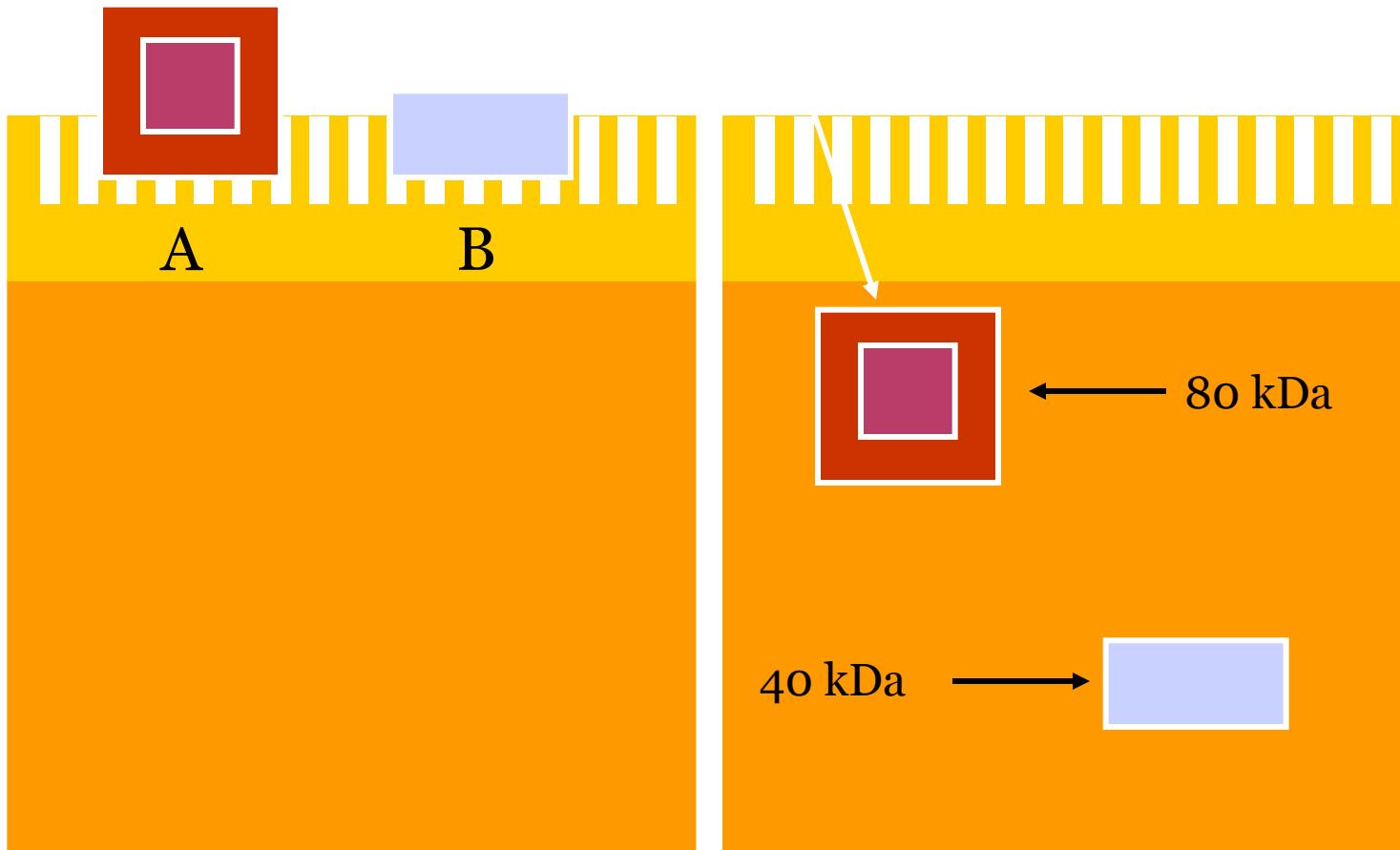
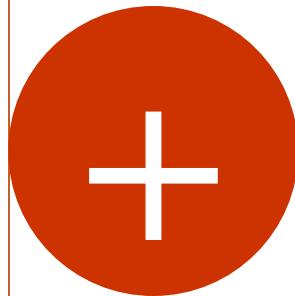
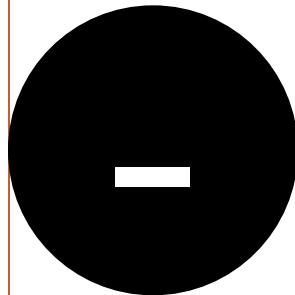


ÁNODO

# **ELECTROFORESIS EN GEL DE POLIACRILAMIDA: NO DESNATURALIZANTE**



# ELECTROFORESIS EN GEL DE POLIACRILAMIDA: NO DESNATURALIZANTE



ÁNODO

# **SEPARACIÓN DE PROTEÍNAS EN GEL DE POLIACRILAMIDA NO DESNATURALIZANTE**

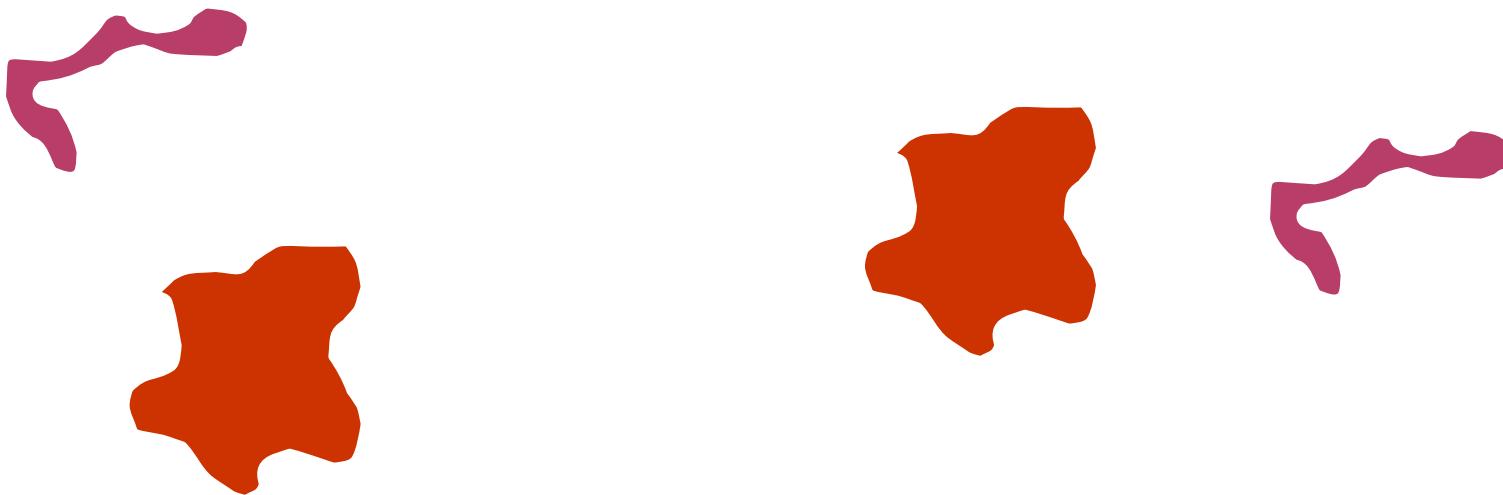
## Ventajas

- Separa proteínas en estado nativo
- Las proteínas siguen siendo funcionales
- Permite separar complejos proteicos  
O proteínas multiméricas como una unidad

## Inconvenientes

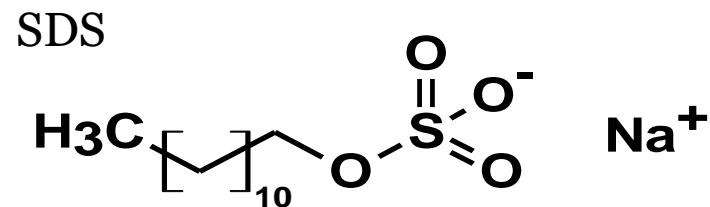
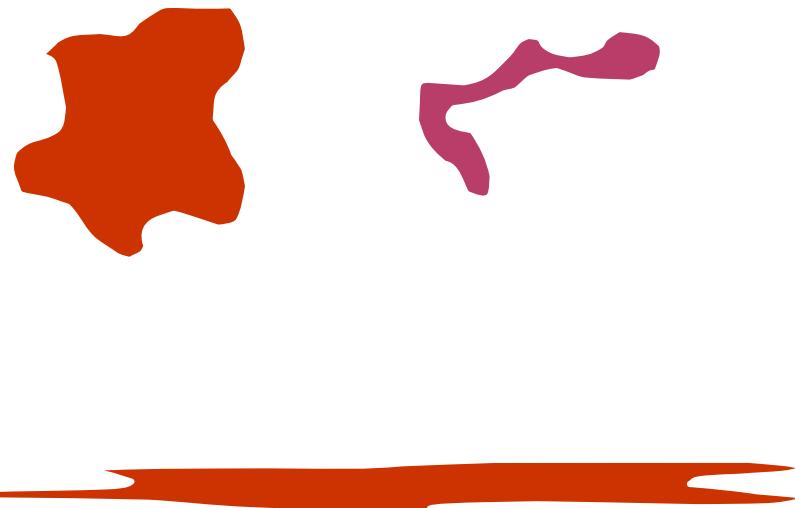
- Muchas proteínas no migran por no tener carga neta o por poseer carga neta positiva
- El proceso de separación es muy lento debido a la debilidad de la carga neta de las proteínas
- El proceso de separación no sólo está afectado por el tamaño sino también por la forma de la proteína

**SDS-PAGE**  
*PolyAcrylamide Gel Electrophoresis*

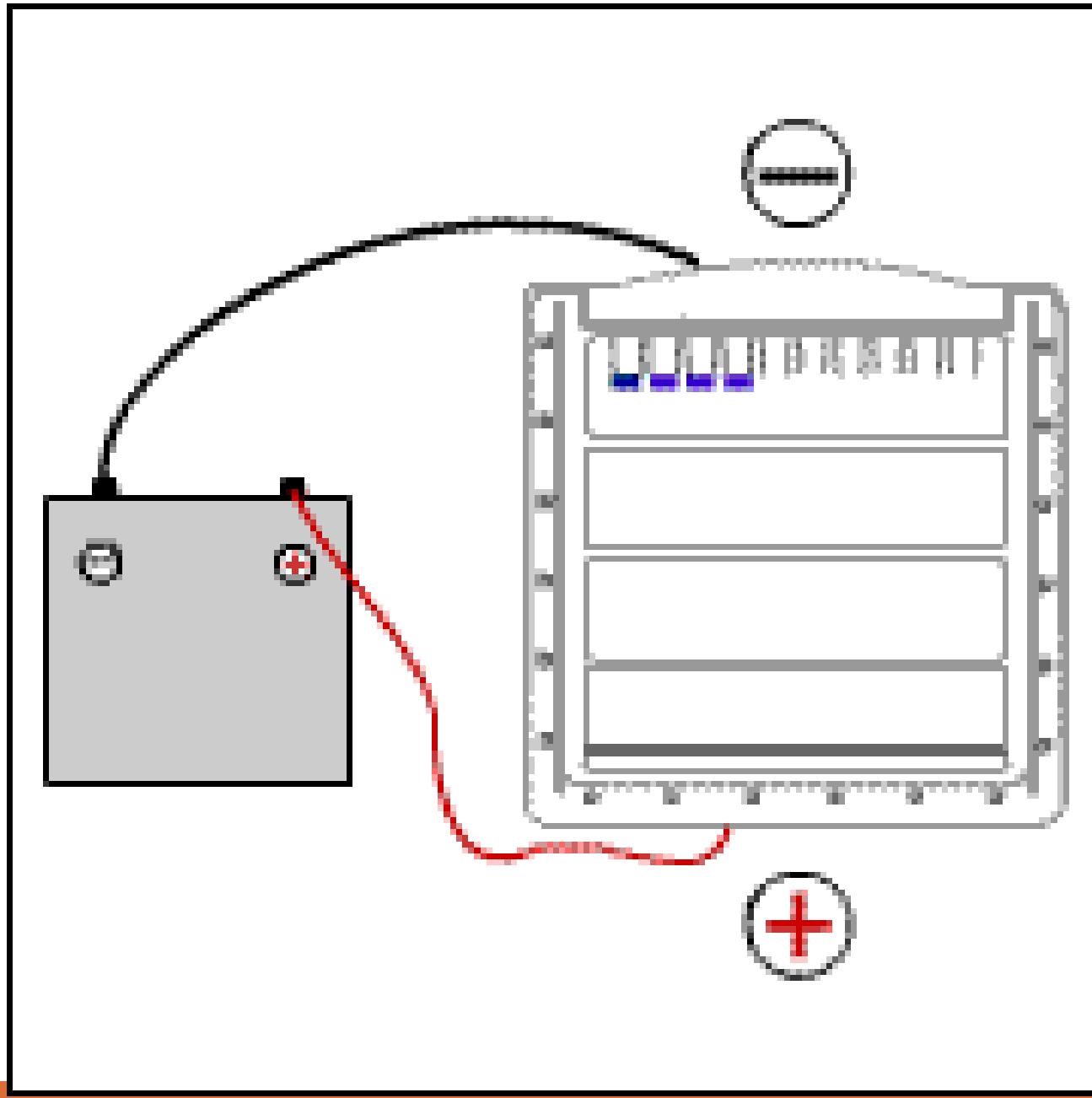


# SDS-PAGE

## *PolyAcrylamide Gel Electrophoresis*



La cantidad de SDS unido a la proteína es proporcional a su tamaño, de tal forma que la relación carga/tamaño entre todas las proteínas va a ser aprox. la misma

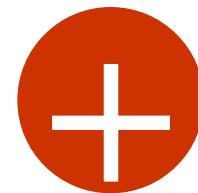
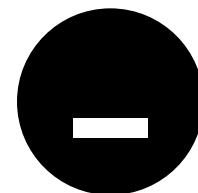


# SDS-PAGE

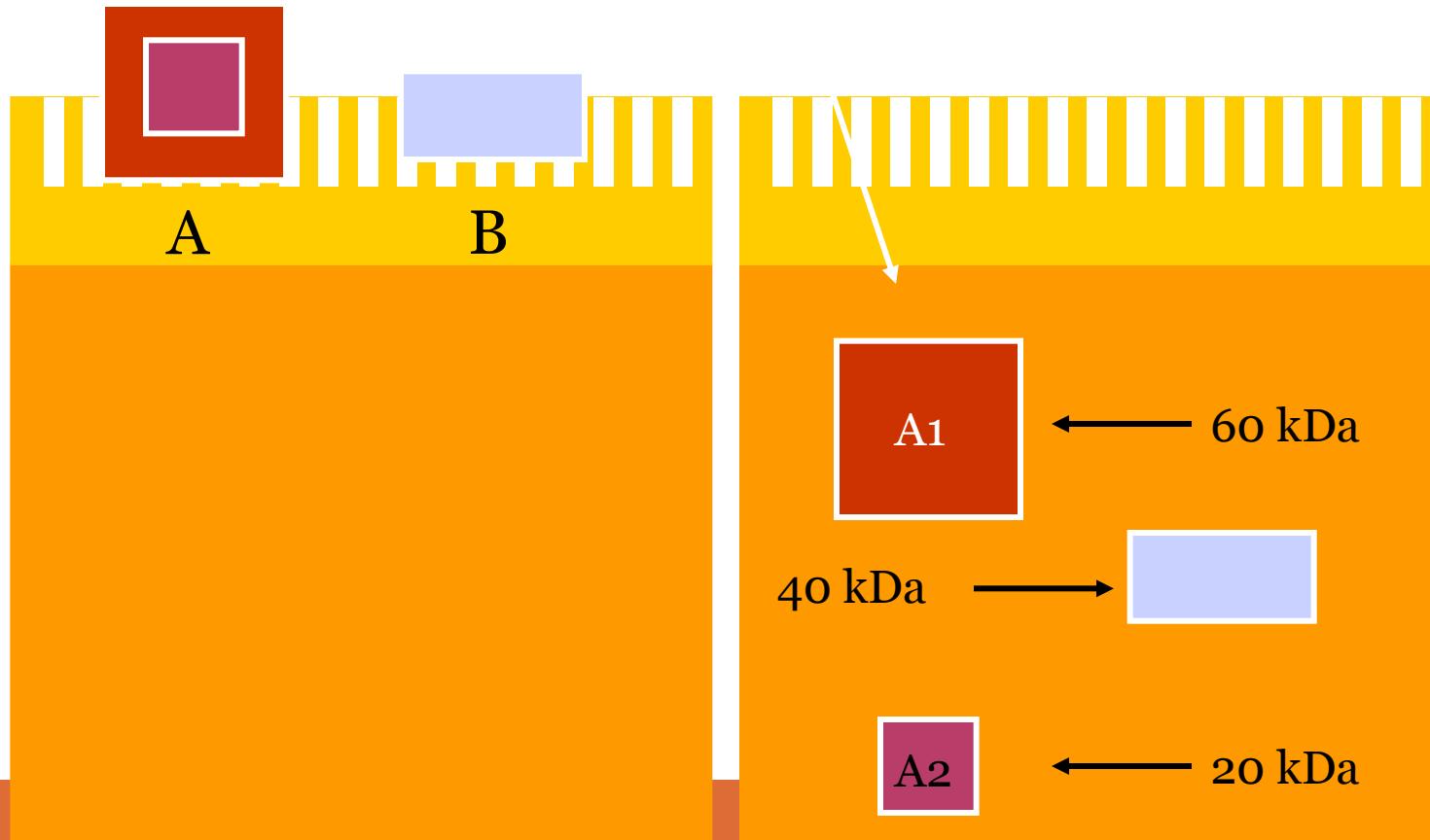
## *PolyAcrylamide Gel Electrophoresis*

LAS PROTEÍNAS SE SEPARAN POR:

- TAMAÑO



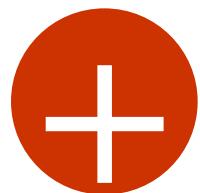
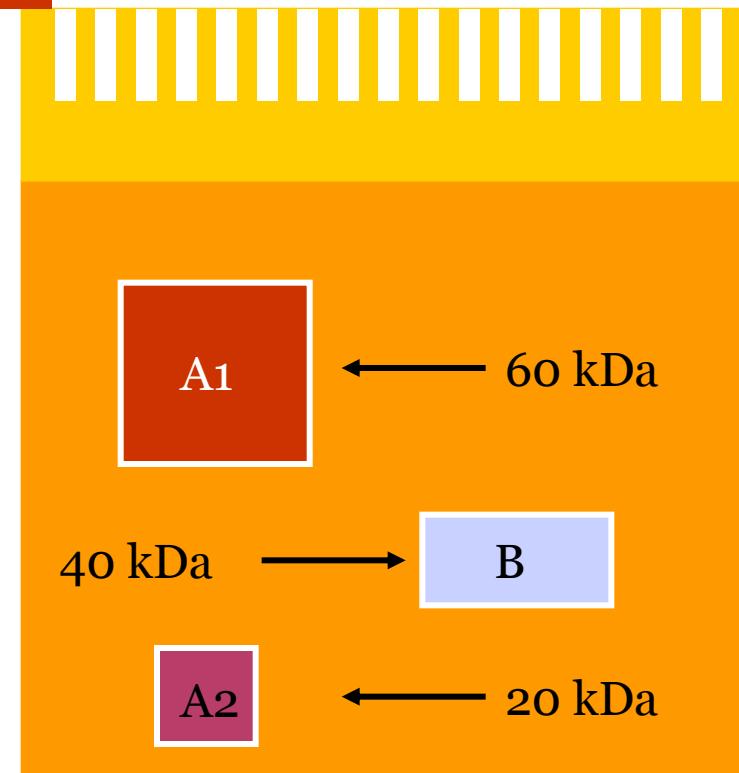
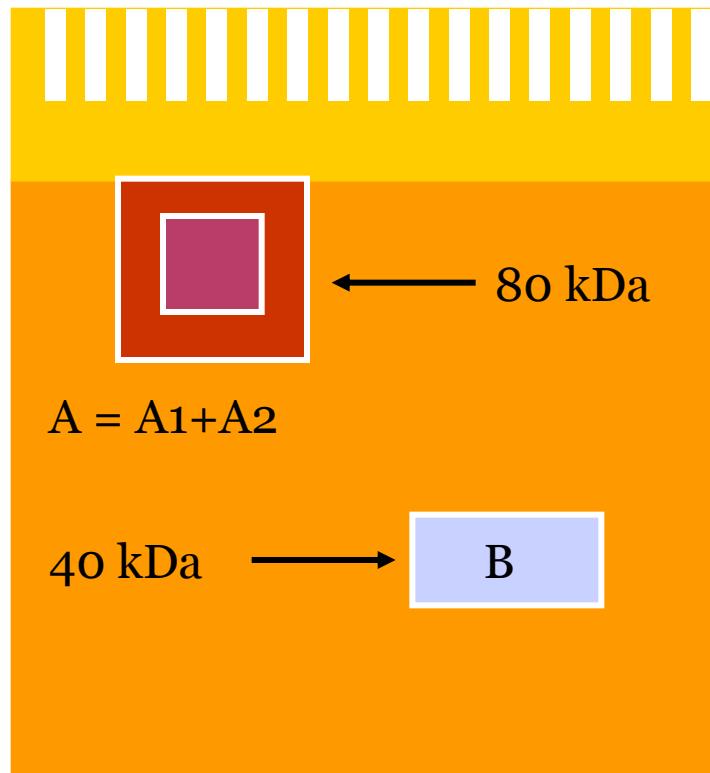
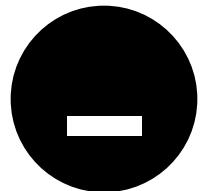
ÁNODO



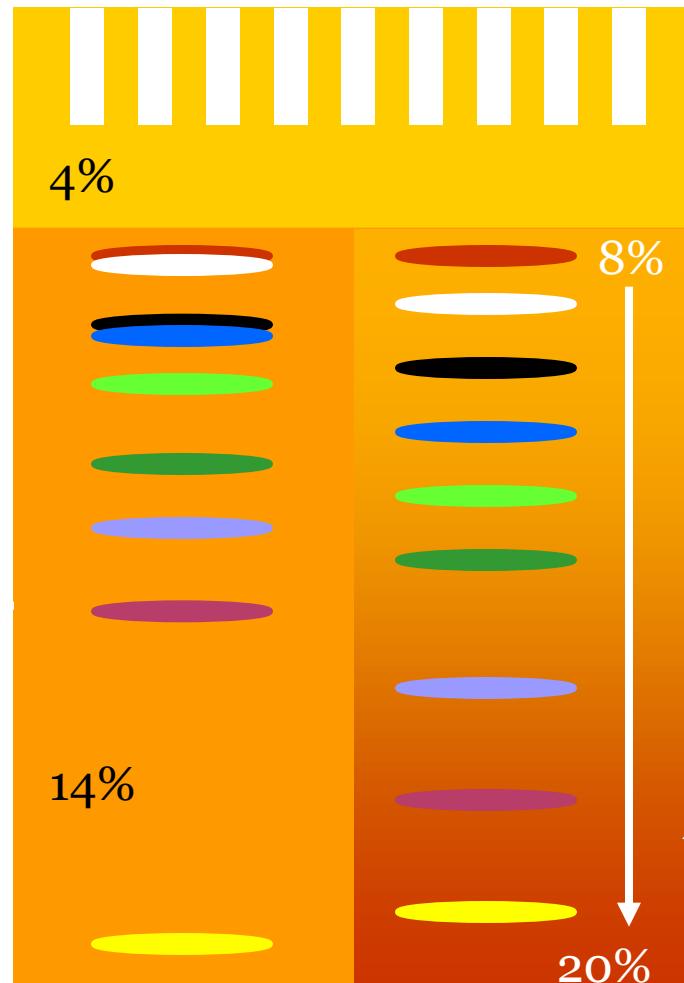
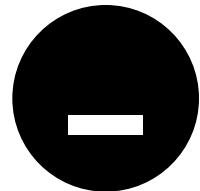
NO DESNATURALIZANTE

SDS-PAGE  
(DESNATURALIZANTE)

vs.



El uso de gradientes de concentración de poliacrilamida permite una mayor resolución en un rango de peso moleculares más amplio



Para que se separen las proteínas de alto peso molecular, debemos prolongar el tiempo de electroforesis.  
Pero en ese caso se perderían aquellas de menor tamaño

# **SDS-PAGE**

## ***PolyAcrylamide Gel Electrophoresis***

### Ventajas

- Separación rápida de las proteínas
- La separación no depende de la forma de la proteína  
Nativa
- Se puede estimar el peso molecular de las proteínas
- Aunque desnaturadas, las proteínas pueden usarse  
PARA LA FABRICACIÓN DE ANTICUERPOS (en la mayoría de los casos)

### Inconvenientes

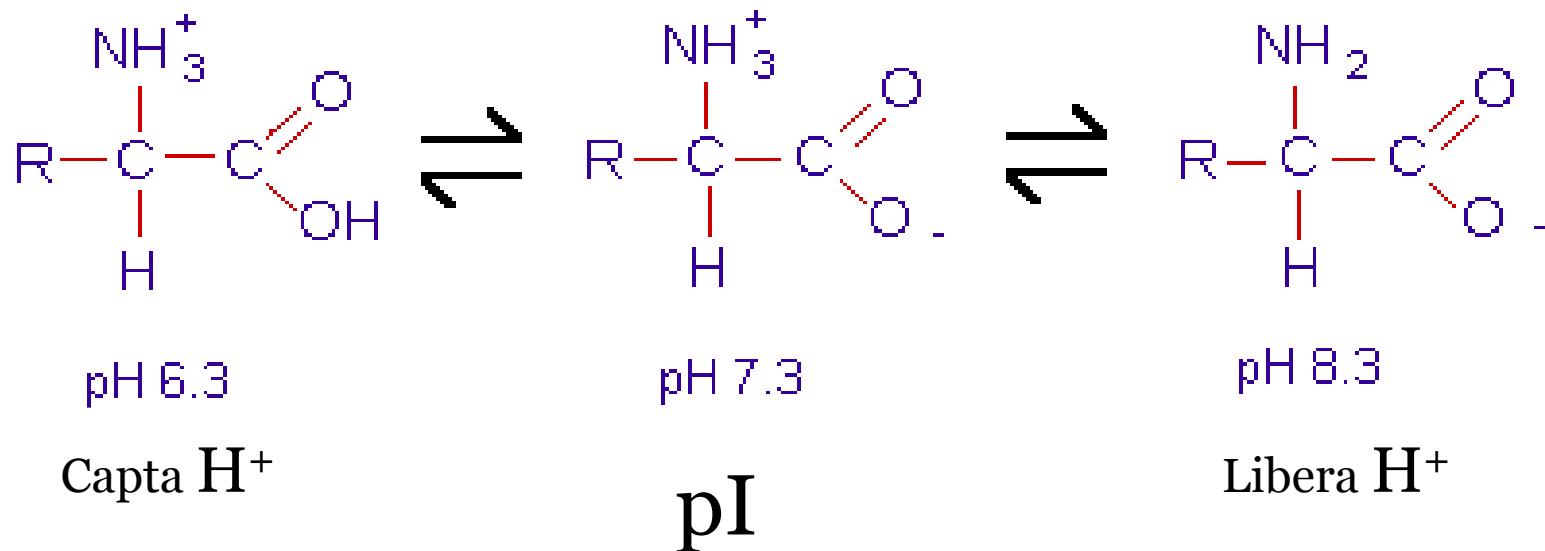
- Las proteínas separadas están desnaturadas
  - No son funcionales

# ISOELECTROENFOQUE

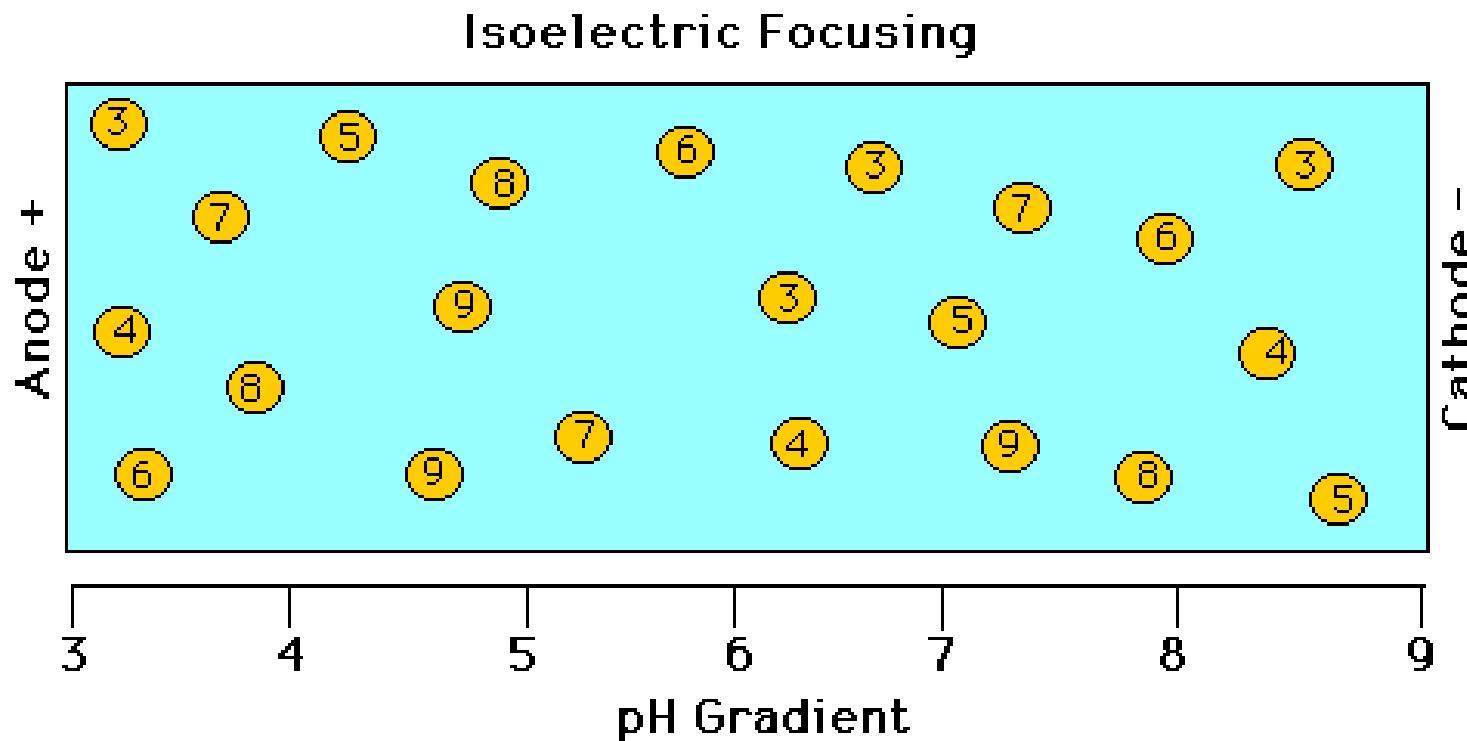
LAS PROTEÍNAS SE SEPARAN POR:

- PUNTO ISOELÉCTRICO

Carga de los aminoácidos y proteínas con los cambios de pH



# ISOELECTROENFOQUE



EL GEL DE POLIACRILAMIDA CONTIENE UNAS MOLÉCULAS DENOMINADAS ANFOLITOS QUE CREAN UN GRADIENTE DE pH

# ISOELECTROENFOQUE

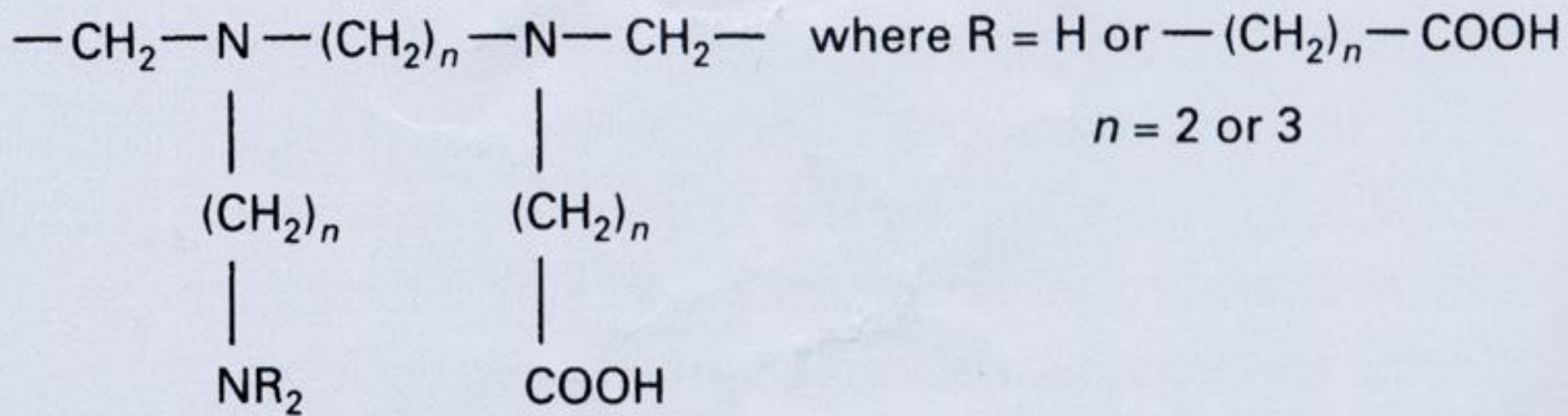
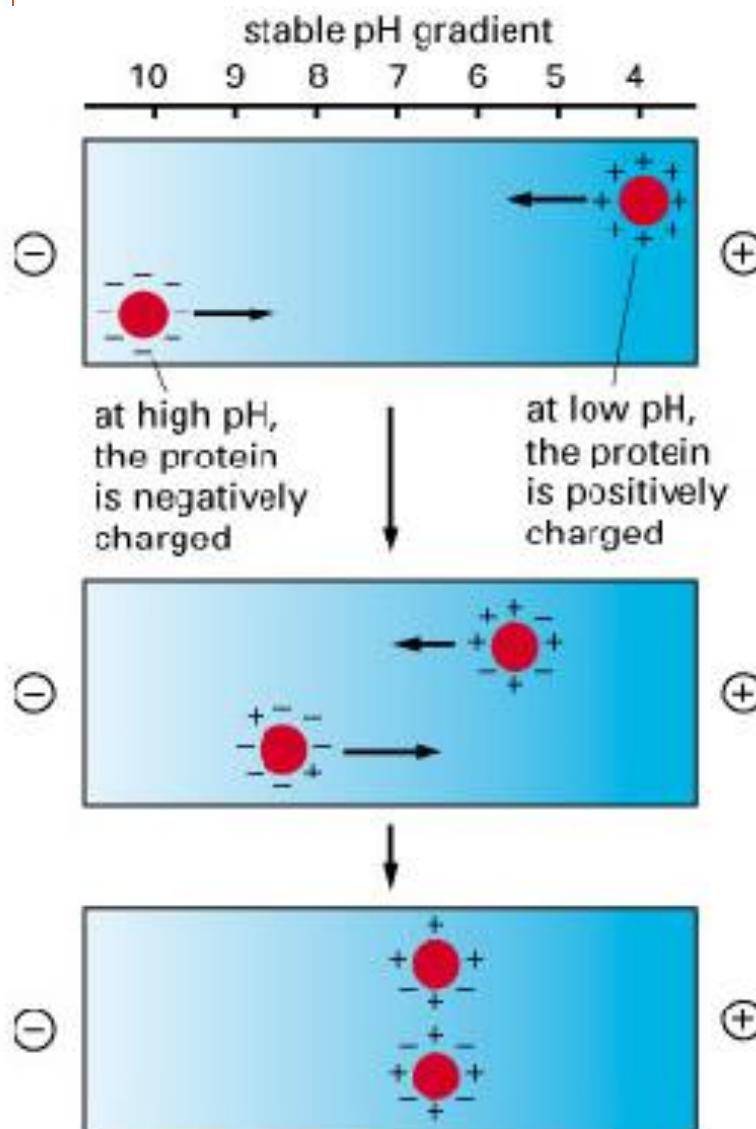


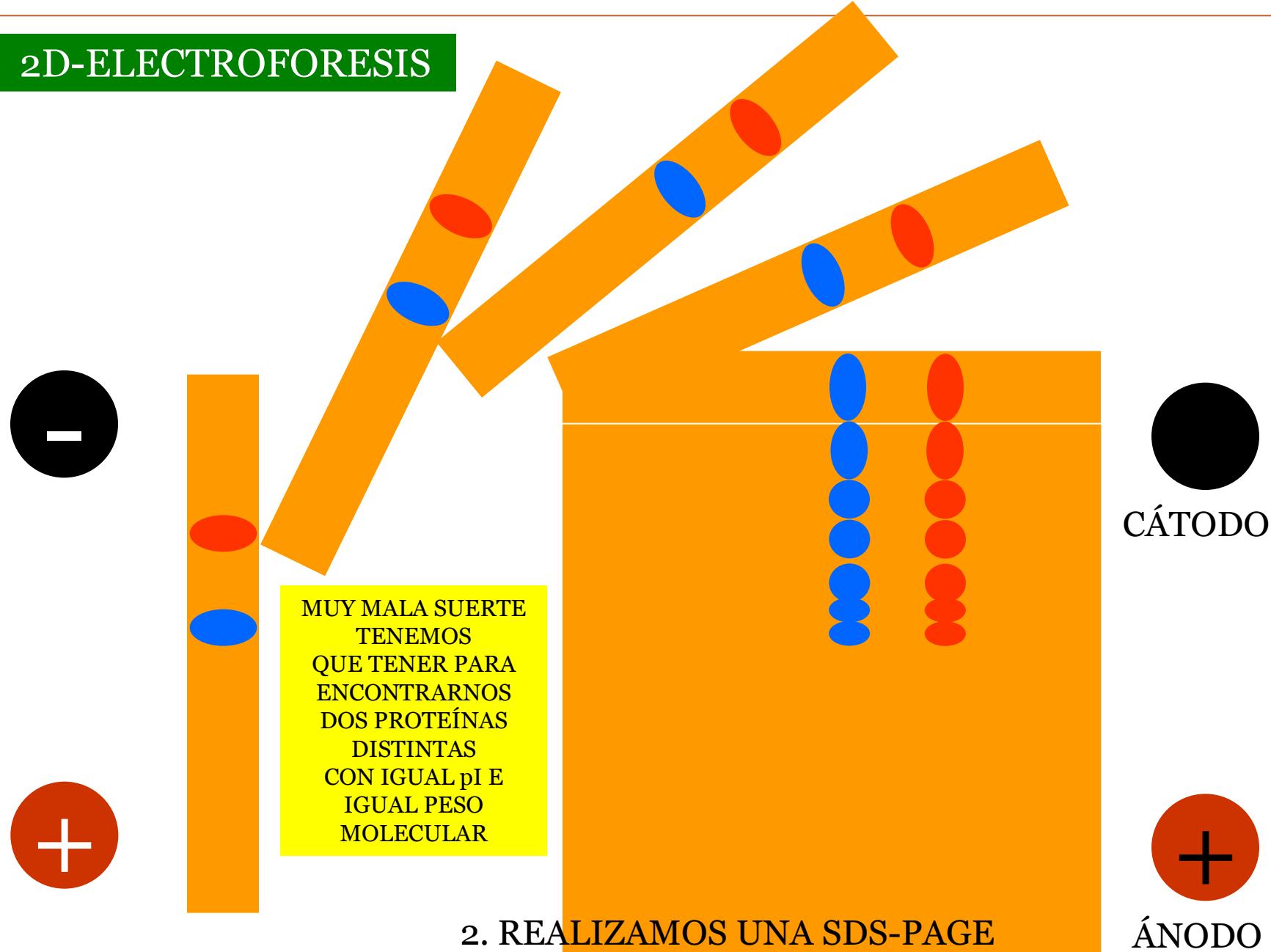
Fig. 12.7. The general formula for ampholytes.

# ISOELECTROENFOQUE



The protein shown here has an isoelectric pH of 6.5.

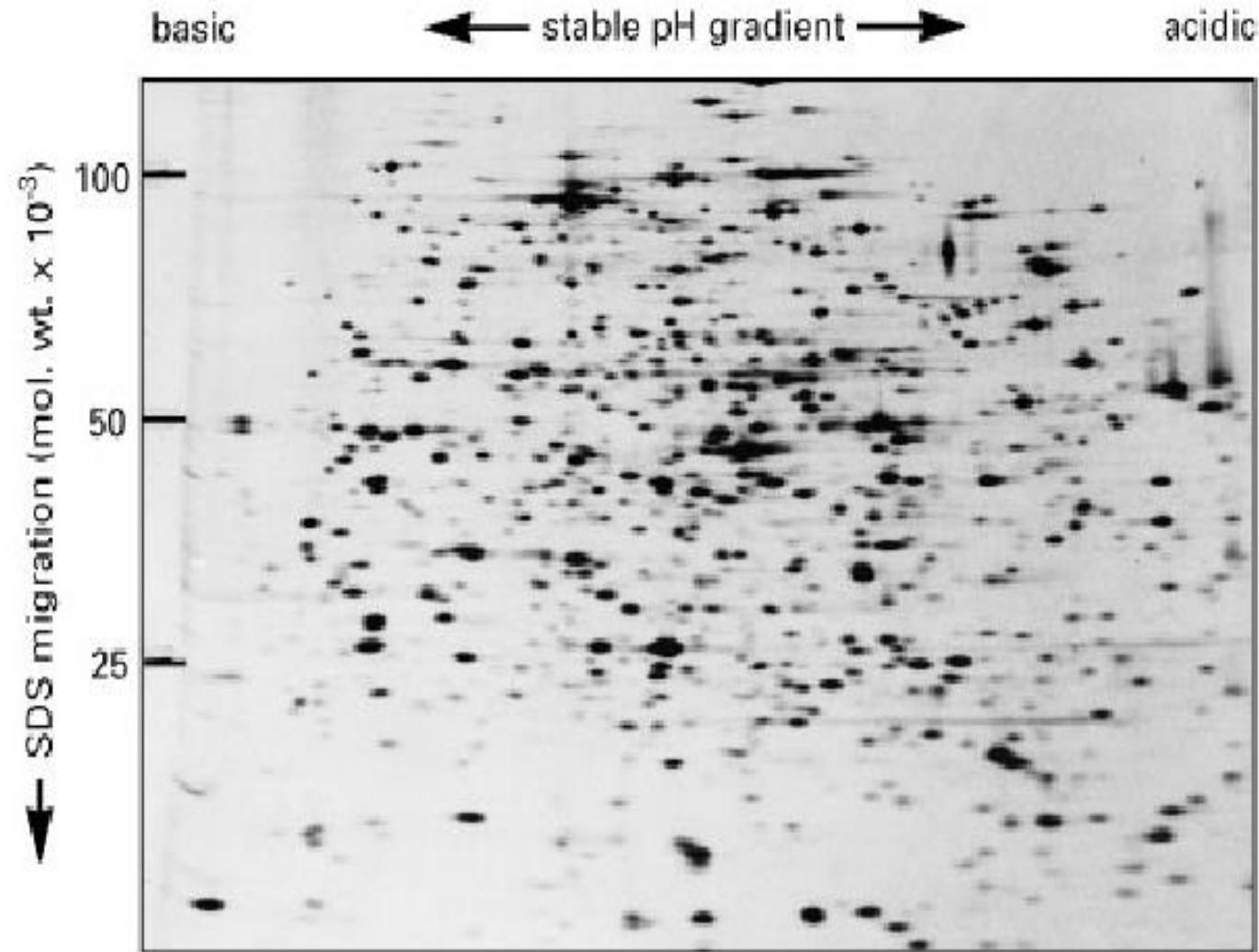
## 2D-ELECTROFORESIS



# 2D-ELECTROFORESIS

## UNA DE LAS HERRAMIENTAS FUNDAMENTALES EN PROTEÓMICA

All the proteins in an *E. coli* bacterial cell are separated in this 2-D gel, in which each spot corresponds to a different polypeptide chain. They are separated according to their isoelectric point from left to right and to their molecular weight from top to bottom. (Courtesy of Patrick O'Farrell.)



# **VISUALIZACIÓN DE LAS PROTEÍNAS SEPARADAS EN LA ELECTROFORESIS**

- Tinción con COOMASSIE BLUE
- Tinción de PLATA
- Tinción con otros metales (COBRE, ZINC)
- Tinción con FLUOROCROMOS
- WESTERN-BLOTTING e INMUNOTINCIÓN

Coomassie Blue



Tinción de Zinc



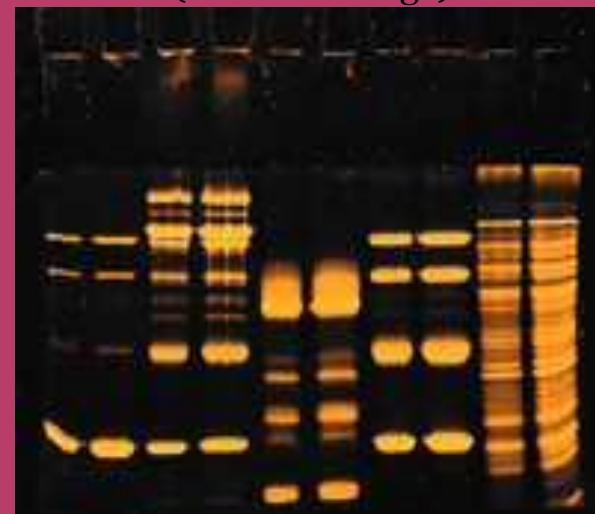
Tinción de Cobre



Tinción de Plata



Tinción con Fluorocromo  
(SYPRO Orange)



ESTAS TINCIONES  
TIENEN LUGAR  
SOBRE EL PROPIO  
GEL

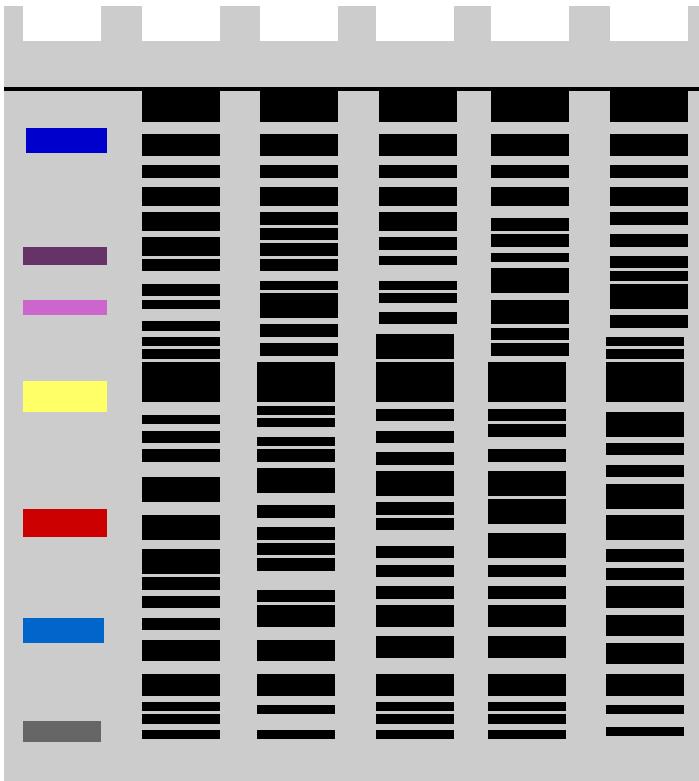
# COMPARACIÓN DE TRES MÉTODOS DE TINCIÓN

Detection limits (ng/mm<sup>2</sup>)

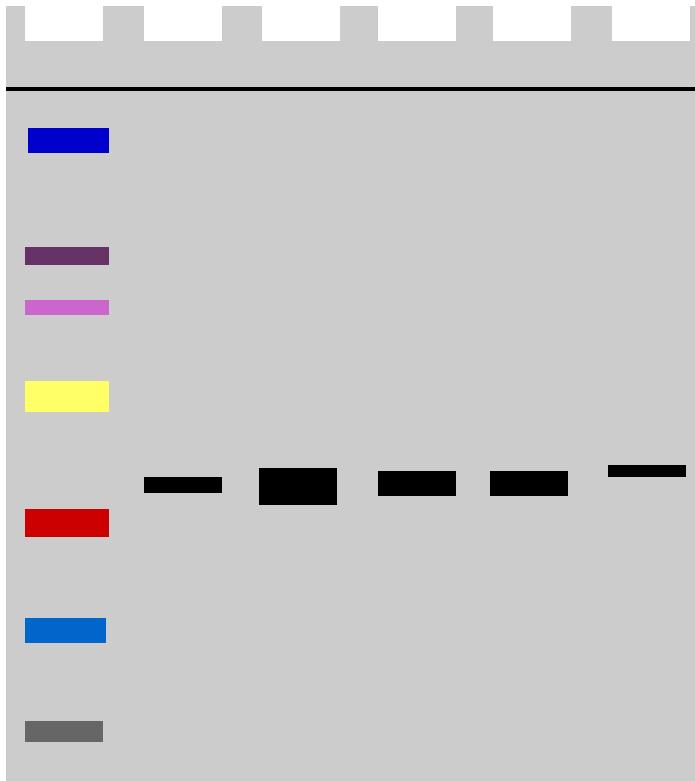
	Coomassie blue	Copper chloride	Silver stain
Phosphorylase B	11	3	4
BSA	11	3	4
Ovalbumin	12	3	5
Lysozyme	9	2	4

	<b>Sensitivity</b> in ng	Number of <b>steps</b>	Time (min)	Comments
<b>Coomassie blue</b>	40	2	30-60	Simple, fast and <b>consistent</b>
<b>Silver stain</b>	10	7	60-90	<b>highly sensitive</b> , stains all types of proteins (glyco-, lipo-) and nucleic acids
<b>Copper stain</b>	9	3	10	Simple, fast, <b>reversible</b> , subsequent elution or blotting possible

a b c d e f

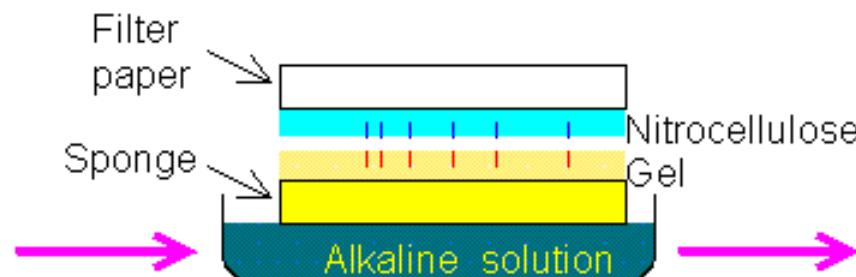
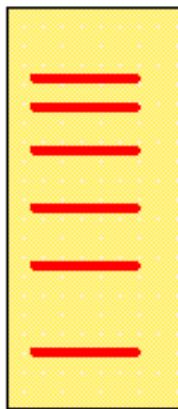


a b c d e f

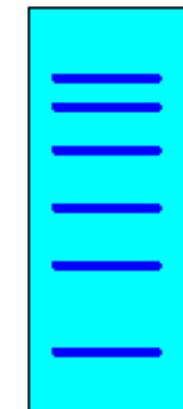


# WESTERN-BLOTTING

Gel electrophoresis

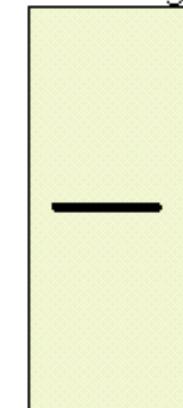


Nitrocellulose filter



Hybridize  
with probe

Autoradiogram



1-TRANSFERENCIA  
2-INMUNODETECCION

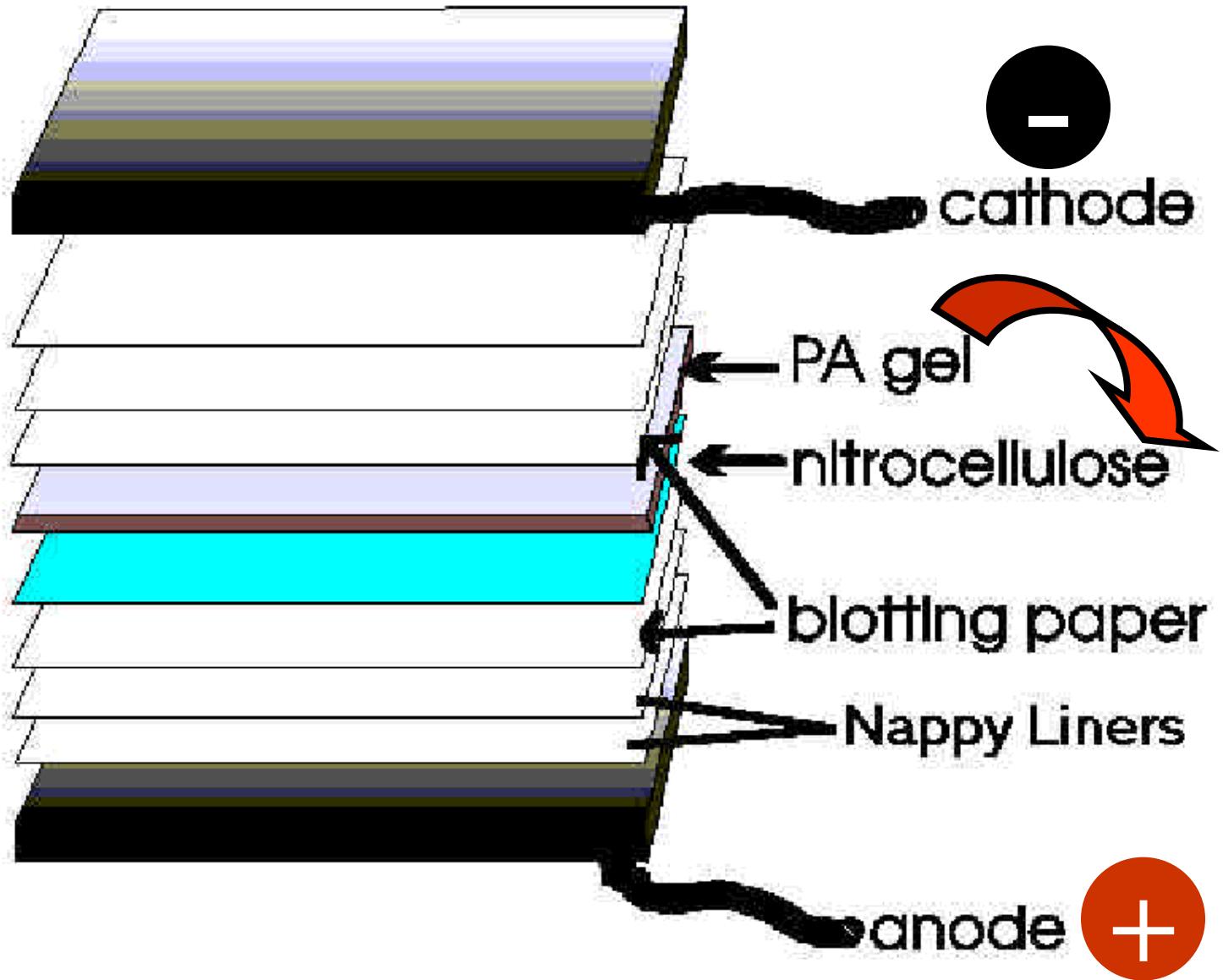
# **WESTERN-BLOTTING**

Mediante un proceso de ELECTROTRANSFERENCIA podemos

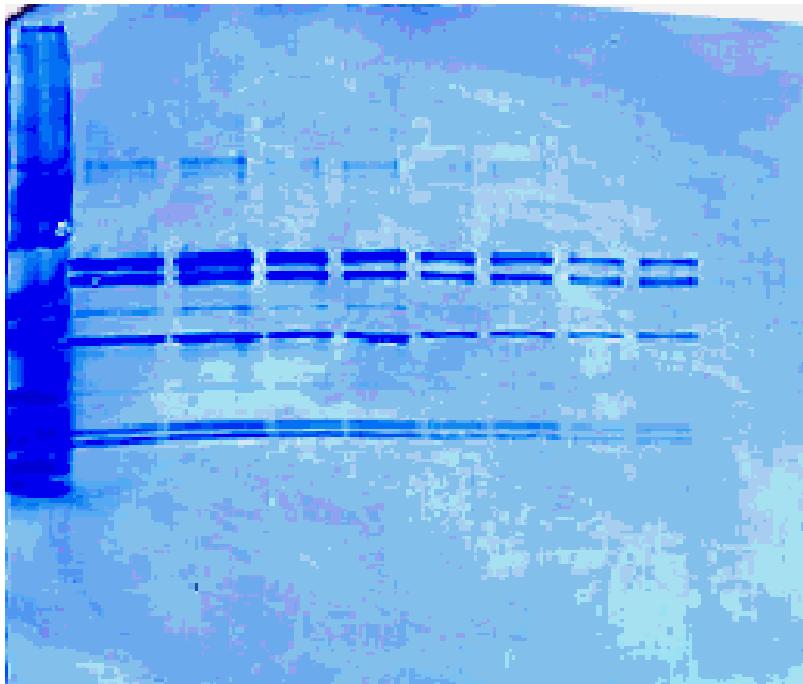
Pasar las proteínas del gel a otro soporte más conveniente

Como por ejemplo pvdf (polyvinylidene fluoride) , membrana de nitrocelulosa. En este soporte se conservan nuestros resultados mejor y por más tiempo

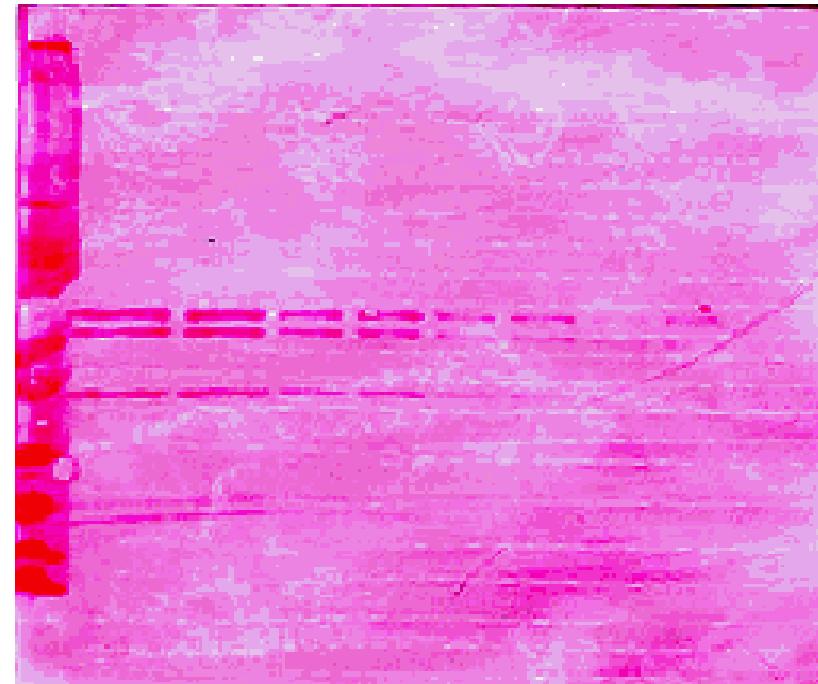
Además permite desarrollar sobre él Técnicas de inmunodetección



# WESTERN-BLOTTING



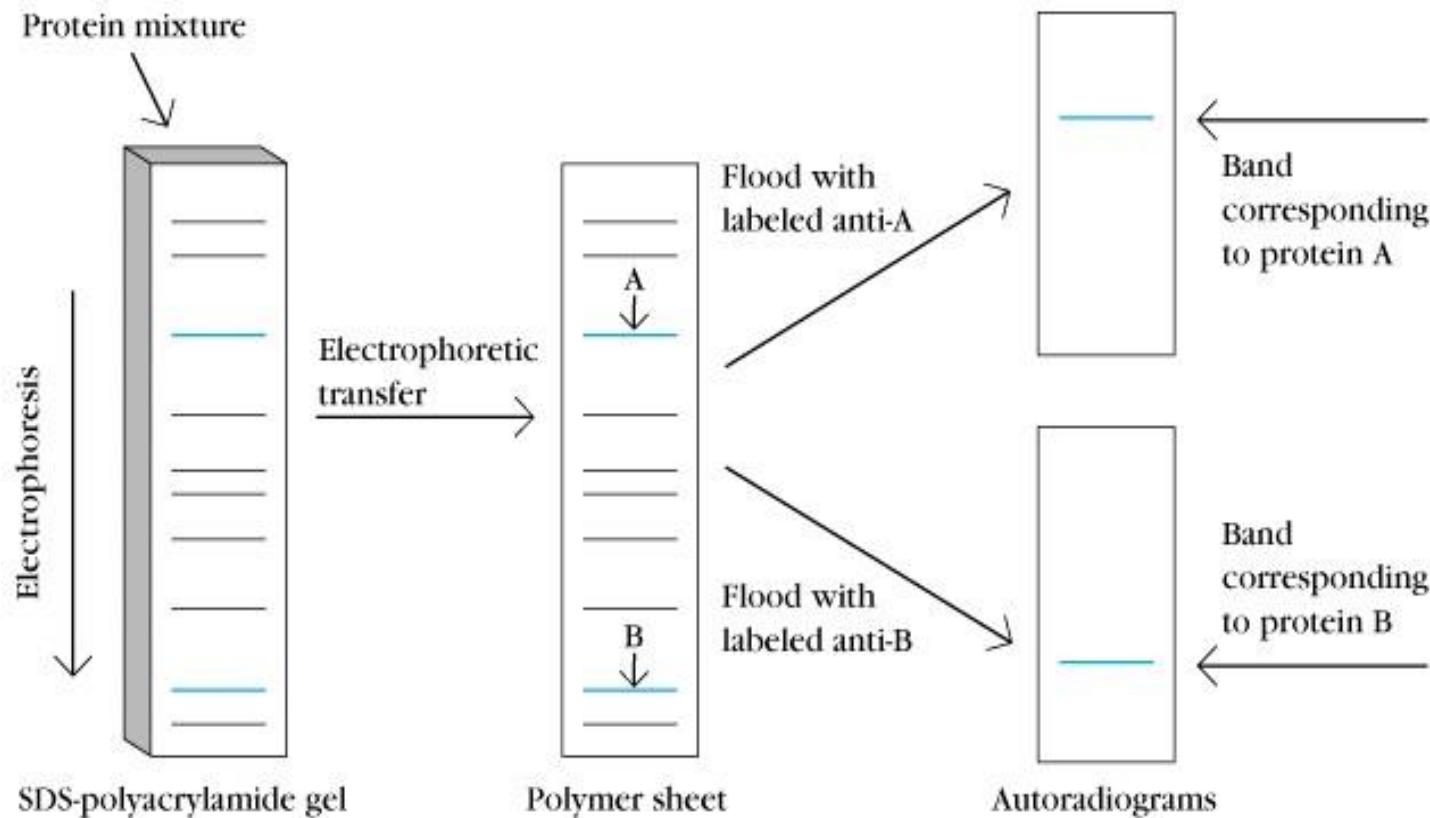
Coomassie Blue  
(en Gel)



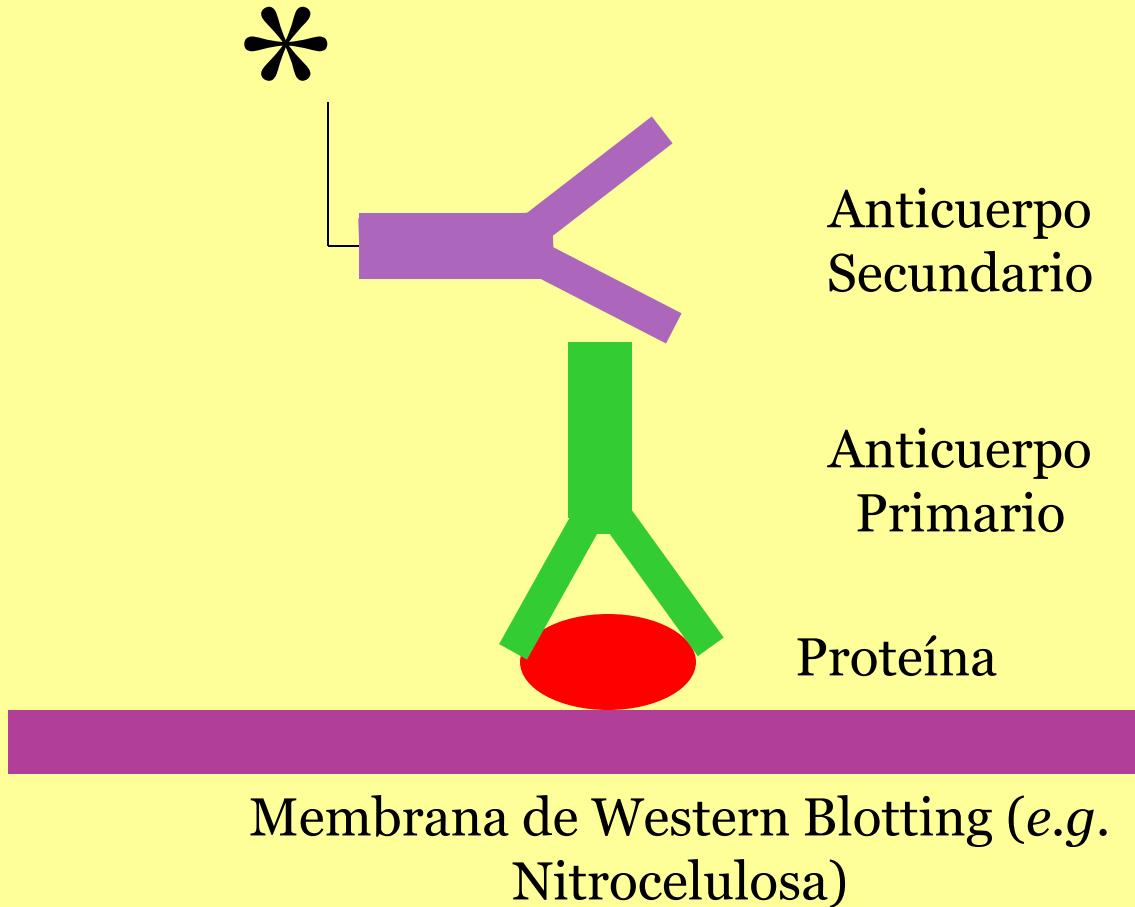
Rojo Ponceau  
(en Membrana de Nitrocelulosa)

# WESTERN-BLOTTING

Para la detección de una determinada proteína se utiliza  
el método de la INMUNODETECCIÓN



# WESTERN-BLOTTING



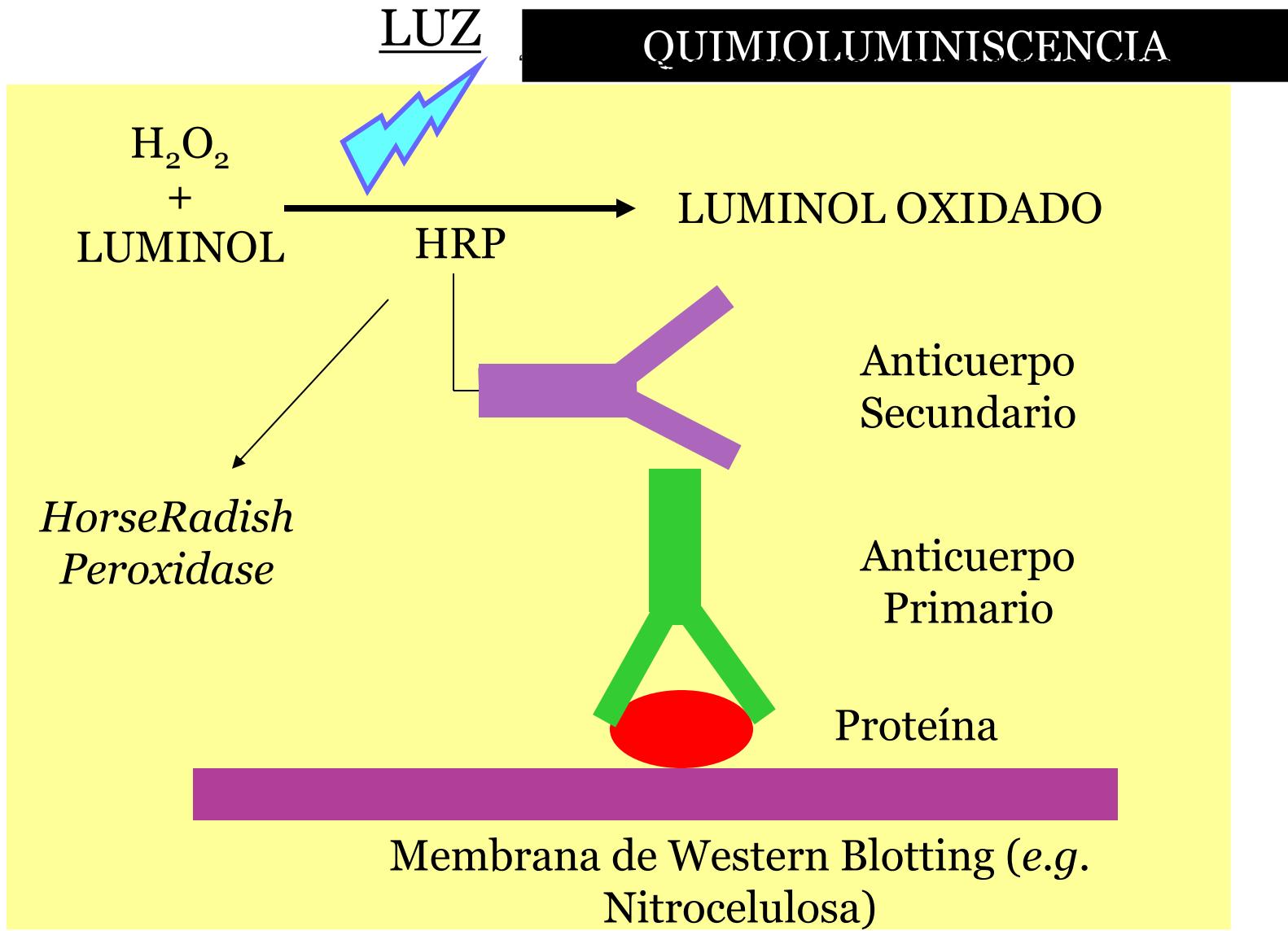
# **WESTERN-BLOTTING**

Dependiendo del tipo de marcado que posea el

Anticuerpo Secundario, el revelado puede realizarse mediante:

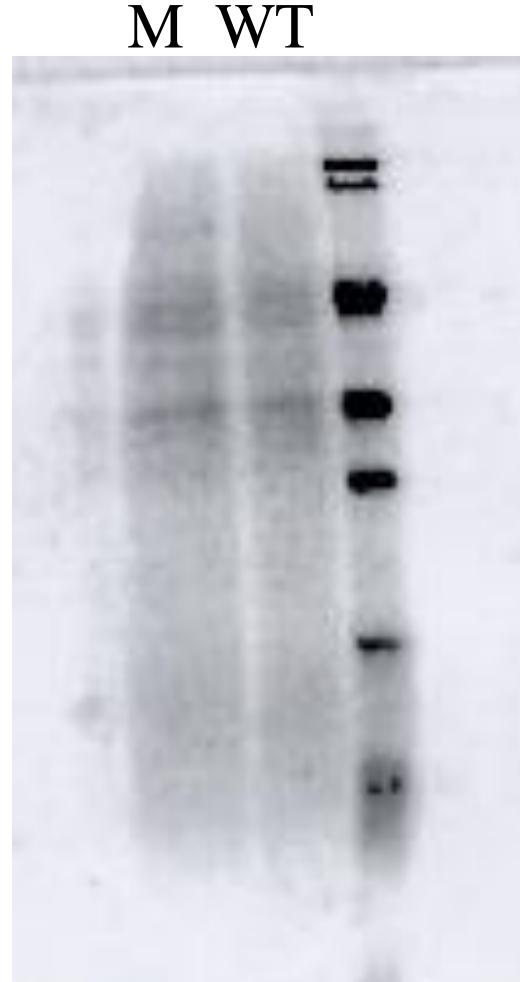
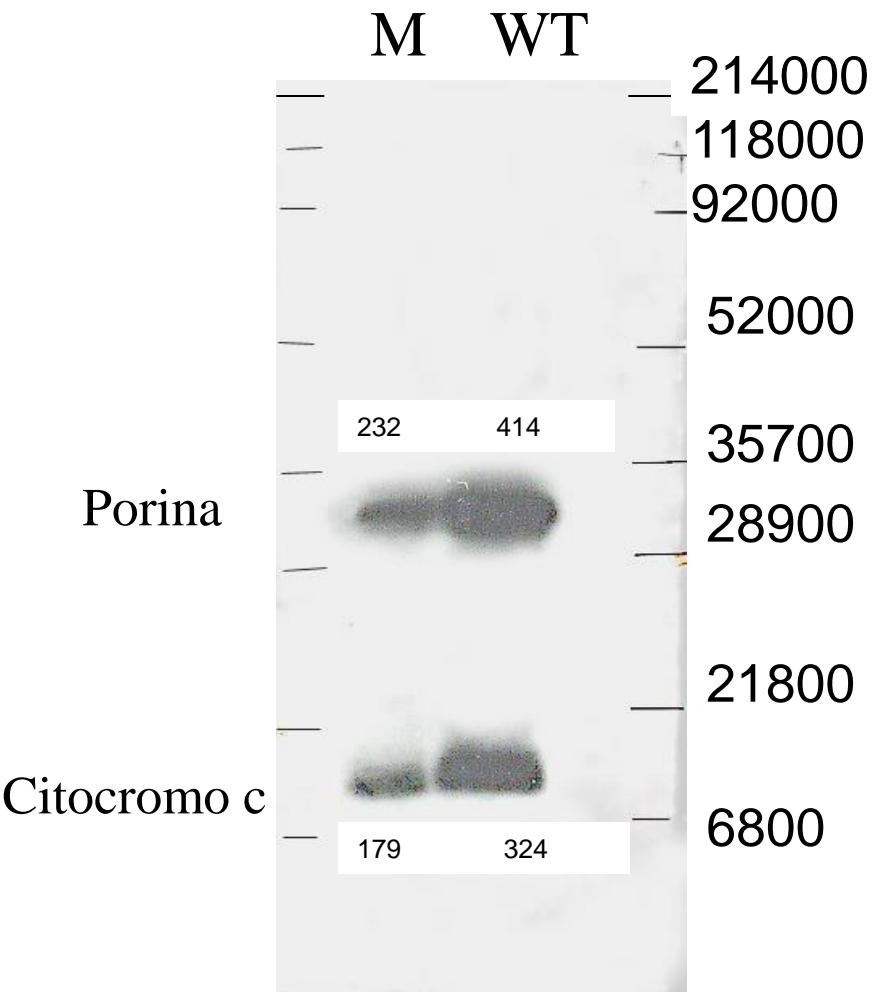
- AUTORRADIOGRAFÍA
- PRECIPITACIÓN DE UN CROMÓGENO INSOLUBLE POR LA ACCIÓN DE UNA ACTIVIDAD ENZIMÁTICA
- FLUORESCENCIA
- QUIMIOLUMINISCENCIA

# WESTERN-BLOTTING



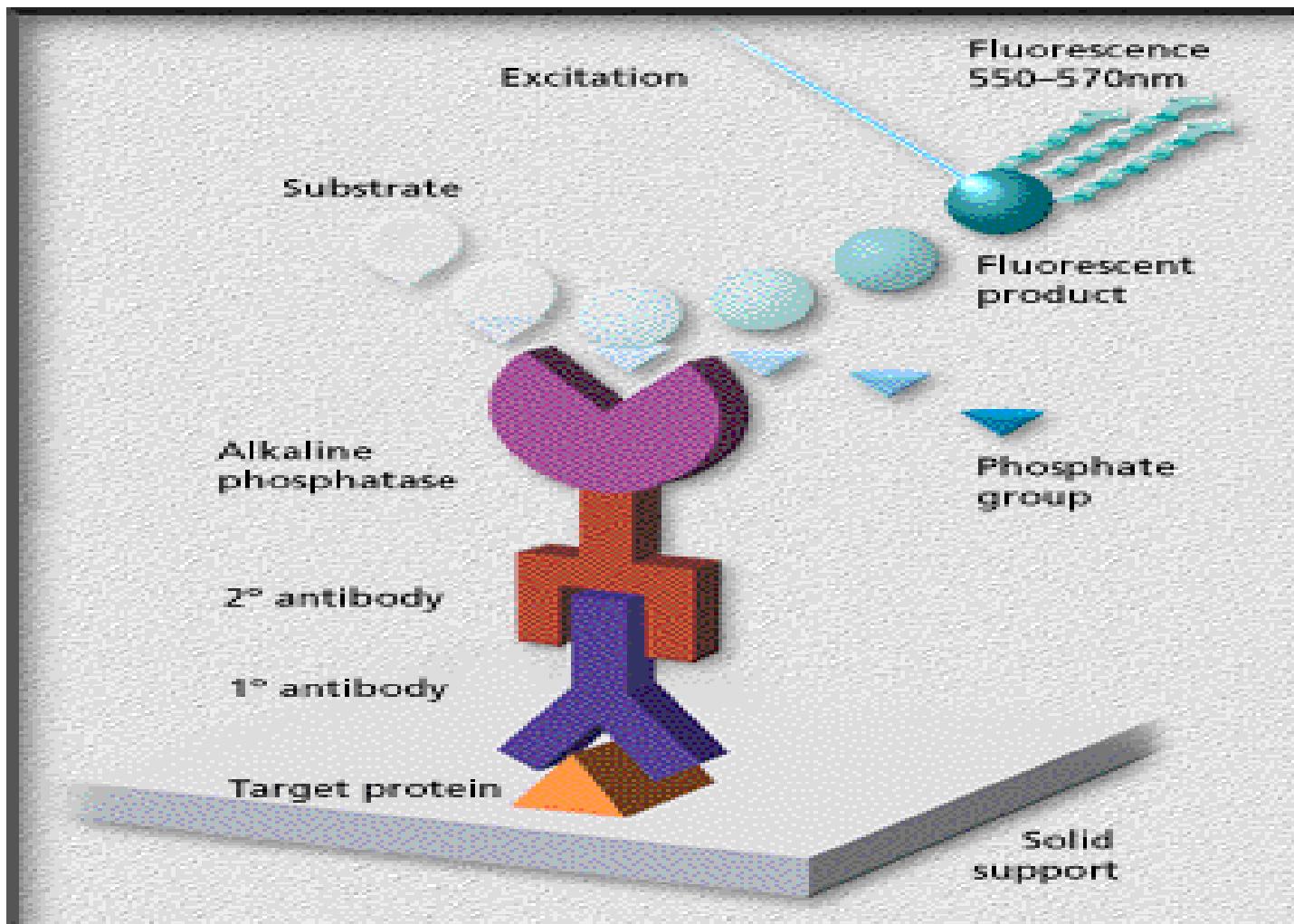
## WESTERN-BLOTTING

## PONCEAU



# WESTERN-BLOTTING

## FLUORESCENCIA



# WESTERN-BLOTTING

En vez de un sustrato fluorescente podemos utilizar un sustrato que da lugar a un precipitado en la membrana de Western Blotting

Como sustrato tenemos:

pNPP: *p*-nitrophenyl phosphate

BCIP: 5-bromo-4-chloro-3-indolyl phosphate

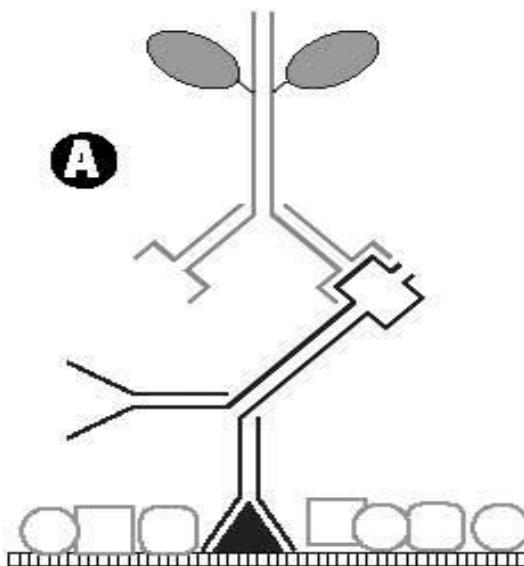
La actividad enzimática comúnmente utilizada para catalizar estas reacciones es la FOSFATASA ALCALINA

# AMPLIFICACIÓN DE LA SEÑAL: ABC (Avidin-Biotin Complex)

## A. DETECCIÓN BÁSICA

El sistema de detección está directamente conjugado al anticuerpo secundario (o a proteínas A o G).

Los sistemas de detección son los ya vistos anteriormente (HRP, fosfatasa alcalina, fluorocromos, oro coloidal y radioisótopos)



## B. DETECCIÓN AMPLIFICADA

Un pequeño ligando o antígeno, como la BIOTINA, está conjugado al anticuerpo secundario.

El sistema de detección terciario consiste en un componente (AVIDINA) que se une específicamente a la biotina, y en múltiples sistemas de detección como los ya vistos.

La amplificación también se da porque la avidina se une a múltiples sitios en el anticuerpo  $2^{\text{ario}}$ .

